



5'

3'

AACCCAGAGATAGGCTAGGTGTCTCCAAATTCATCCTTATGGTAGTGCTTACCACACTATGAATAATTAATTATTTGTCTTCAA
TTGGGGTCTCTATCCGATCCACAGAGGTTTAAGTAGGAATACCATCACGAATGGTGTGATACTTATTAATTAATAAACAGAAGTT

85

PRKN

PRKN-206

CTCTATAGACTGTGACCTCCTGAGGAGATGGAACATTCTTGTTCACCTTTTATAGGATGTGACATGACACTGCCTGGCATCTAGTG
GAGATATCTGACACTGGAGGACTCCTCTACCTTGTAAAGAACAAGTGAAAATATCCTACACTGTACTGTGACGGACCGTAGATCAC

170

PRKN

PRKN-206

GCCGGTCCACTGTGTTGGCAGAATGGGTGAATAAAAGTGATTCAAAAATGTAGACATAAATGAATTTTACCTTGGCTACGTTGTA
CGGCCAGGTGACACAACCGTCTTACCCACTTATTTTCACTAAGTTTTTACATCTGTATTTACTTAAAATGGAACCGATGCAACAT

255

PRKN

PRKN-206

TATGCTGAAATATTGGGACTTCTGCAAATAAGCTTACAGAACCAAAGTAAACCCTCTTCCATGCAGCAGAGTGGACTGGATAAAA
ATACGACTTTATAACCCTGAAGACGTTTATTTCGAATGTCTTGGTTTCATTTGGGAGAAGGTACGTCGTCTCACCTGACCTATTTT

340

PRKN

PRKN-206

CAGGGAGAACATGAGCAGAGGAGGCAAGAAAAACCAGAAGGGGTAGTTAGTGAGCTGATTCAGGATCTGCCAGTGCCTTAATAGG
GTCCCTCTTGTACTCGTCTCCTCCGTTCTTTTTGGTCTTCCCATCAATCACTCGACTAAGTCTTAGACGGTCACGGAATTATCC

425

PRKN

PRKN-206

ACTGTGATTCTAAGCAGGCCAATGGACAACCTGAACTGATTTTCAGGATTTTAGACTTGGCTGCTGGAAGGAATTTTGAAGATCATT
TGACACTAAGATTCGTCCGGTTACCTGTTGACTTGACTAAAAGTCTAAAATCTGAACCGACGACCTTCCTTAAAACCTTCTAGTAA

510

PRKN

PRKN-206

CAACTGTTGAAGCTTATGTTAATTTCTAAAAGTTGAGTCTATCAATTAGTATCTCGGAGCAGGCTCCTCTCCAGTGAGGGGGGTT
GTTGACAACCTTCGAATACAATTAAGATTTTCAACTCAGATAGTTAATCATAGAGCCTCGTCCGAGGAGAGGTCACCTCCCCCAA

595

PRKN

PRKN-206

GCTCACTTGGCTAATTCAAATAATGAACTCATAACCCACGTGGGCTGAAATGCTCTCTCTGGCATTGTTGTGGGCAGGCGCTG
CGAGTGAACCGATTAAGTTTATTACTTGAGTATGCTGGGTGCACCCGACTTTACGAGAGAGACCGTAACAACACCCGTCGCGAC

680

PRKN

PRKN-206

TGCCGGTACTTCTTTGTCAGTCGTGCACTTTGGCAATTAGTATGTAATTTTGCCAAATATAGATCAAATTAATAATGCATTTGGT
ACGGCCAATGAAGAAACAGTCAGCACGTGAAACCGTTAATCATACATTAATAACGGTTTATATCTAGTTTAATTTTACGTAAACCA

765

PRKN

PRKN-206

CTCTGAGATTTTCAGTCATTTATTTCTTGTTTATAAGCCATCTCTAACTAAAAGGGGCTTAAAGTGACAGTCGTTAAGAAGATAAA
GAGACTCTAAAAGTCAGTAAATAAAGAACAATATTCGGTAGAGATTGATTTTCCCGAATTTCACTGTCAGCAATTTCTTCTATTT

850

PRKN

PRKN-206

TTCATGTTTTTAAATGGTGTAGCTTTTCCTCTTTTAATTACTTTTATCTAATCAAATACTGTGTTAAATGCCAGGAGTCATAGTT
AAGTACAAAAAATTACCACATCGAAAGGAGAAAAATTAATGAAAATAGATTAGTTTATGACACAATTTACGGGTCTCAGTATCAA

935

PRKN

PRKN-206

CTCCATGTGTGGAGTTTGCAGAGAGCTTTGAAAGATTGCTAACTGGGGCATGACTTCTGTGTTACTATTGCACAACTAAGAACA
GAGGTACACACCTCAAACGTCTCTCGAAACTTTCTAACGATTGACCCCGTACTGAAGACACAATGATAACGTGTTTGATTCTTGT

1020

PRKN

PRKN-206

GTGGAAACAATGTGTGAATTTTCAAGGGTCAAGTGTTAGCTAAATTGCAAGACTCTCTCCCTCAAGTGAGGAAATTTAGTTTTTA
CACCTTTGTTACACACTTAAAAGTTCCAGTTTACAATCGATTTAACGTTCTGAGAGAGGGAGTTCACTCCTTTAAATCAAAAAT

1105

PRKN

PRKN-206

TTTCCTCAAGGATTTTGCACGTAATATTTTTATTTAACTTGTGCTGCTTTTCATTGCATTTTCAGATGCTGCTGCTCTTCATACA
AAAGGAGTTCCTAAAACGTGCATTATAAAAAATAAAATTGAACACGACGAAAAGTAACGTAAAGTCTACGACGACGAGAAGTATGT

1190

PRKN

PRKN-206

TATGTAATAACTTTGCTTTCCACTGGGGAGAATGAAGAAACCAGCCACTCTTGATAACTGAGCATTCTCTTTTCTGCTCTGTGC
ATACATTATTGAAACGAAAAGGTGACCCCTCTTACTTCTTTGGTTCGGTGAGAACTATTGACTCGTAAGAGAAAAGGACGAGACACG

1275

PRKN

PRKN-206

TTTCACAGCTCCATTCTTTTCTTTGACCTCAGGTGTTGTCTGCATCTTTATGCACTGGAATCCTGACCGTTTTTCAAATGCCCC
AAAGTGTCGAGGTAAGAAAAAGAGAACTGGAGTCCACAACAGACGTAGAAATACGTGACCTTAGGACTGGCAAAAAGTTTACGGGG

1360

PRKN

PRKN-206

TACATTCATGAATTCTTTTCTGGTCTTCAACCTATATATGACCTCCTCCTCCTCTGAACCTGAATTAGTTAGATATTGCTGAATA
ATGTAAGTACTTAAGAAAAGACCAGAAGTTGGATATATACTGGAGGAGGAGGAGACTTGGACTTAATCAATCTATAACGACTTAT

1445

PRKN

PRKN-206

ACAAAATATCCATAACTTAGTGCTGAAGAAAAATAATAAACATTGCCTCTCACAGTTTTAGCAGGTCAGGAATTTGGGAGCAAG
TGTTTCATAGGGTATTGAATCACCGACTTCTTTTATTATTTGTAACGGAGAGTGTCAAAGTCGTCCAGTCTTAAACCTCGTTTC

1530

PRKN

PRKN-206

TTAGCTGGATAGTTCTTGCTCAGGGTATCTCATGCAGTTATAGTCAAAAATATCAGCCAGGGCTTCAGTCATCCTAGGGCTTGCCA
AATCGACCTATCAAGAACGAGTCCCATAGAGTACGTCAATATCAGTTTTATAGTCGGTCCCAGGTCAGTAGGATCCCGAACGGT

1615

PRKN

PRKN-206

ACTGGCTGCCAAGTAGATGCCAGCTGTTGTTAGAAGGCCCCAGTTTCTTGCTACATGGACTTCACCATAGTACTGCTTGAGTGTC
TGACCGACGGTTCATCTACGGTCGACAACAATCTTCCGGGGTCAAAGAACGATGTACCTGAAGTGGTATCATGACGAACTCACAG

1700

PRKN

PRKN-206

CTCCCAACATGGCTGCTCGCTTTCTCAGAGCAAGTGATCTGTAAGAGCACAGACAGAGGCTGCGGTGTCTTTTCTGACCTACTC
GAGGGTTGTACCGACGAGCGAAAAGGAGTCTCGTTCACTAGACATTCTCGTGTCTGTCTCCGACGCCACAGAAAAGACTGGATGAG

1785

PRKN

PRKN-206

TTGGAAGTCACACATTGCCGTTTCTGCACTTTTCTATTGCATGTGAGTCAATCCATTCAATGTGGAGAGGAACTACAGAGGAGG
AACCTTCAGTGTGTAACGGCAAAGACGTGAAAAGGATAACGTACACTCAGTTAGGTAAGTTACACCTCTCCTTGATGTCTCCTCC

1870

PRKN

PRKN-206

TGGAGCTCACTGGAGAACATCTTGAAGGCTGCTTACCCCAGAGCGTGAGCGTGGCAATATATCCTATCTCTCTAACATGACTTAA
ACCTCGAGTGACCTCTTGTAGAACTTCCGACGAATGGGGTCTCGCACTCGCACCGTTATATAGGATAGAGAGATTGTACTIONGAAAT

1955

PRKN

PRKN-206

AATATTCTGTCCTGTATAGTAAGTATTTGTTTCCCTCTCCTGCCCACTCTACTGGATTTATATGTCCTTGAGAGCTTAGATTTGC
TTATAAGACAGGACATATCATTTCATAAACAAAGGGAGAGGACGGGTGAGATGACCTAAATATACAGGAACTCTCGAATCTAAACG

2040

PRKN

PRKN-206

TTCTCATCTTTGCATAGCTTGAAATATCTGGCACATTGCTTTTCGATATATGTCACATTTTCATCCACAGCCTCTCTCTTAATGAG
AAGGAGTAGAAACGTATCGAACTTTATAGACCGTGTAAACGAAAGCTATATACAGTGTAAAGTAGGTGTCTGGAGAGAGAATTACTC

2125

PRKN

PRKN-206

TATAAATGAAGATGTACACATGGGAAAGAATCAGGCAAATGGAGAGAAAGAGAAACAGACAGATTTTCCAGAGAGTGTGTGAAG
ATATTTACTTCTACATGTGTACCCTTTCTTAGTCCGTTTACCTCTCTTTCTCTTTGTCTGTCTAAAACGGTCTCTCACACACTTC

2210

PRKN

PRKN-206

GAGGGCAAATGAGAGAGAAACAAACAAGGTGGACAGCAGAGTAAATTGCACATTTTCTAGATAAACATAAAAACTCGCATGCTAT
CTCCCGTTTACTCTCTTTGTTTCCACCTGTCTCATTTAACGTGTAAAAGATCTATTTGTATTTTGGAGCGTACGATA

2295

PRKN

PRKN-206

TTTTGTAGATGCTAGAATACTAACTTTACAAGAATTTAAATATTTGGAACACTGTGTAACCATATTCTACTTTTTTAATGTATGT
AAAACATCTACGATCTTATGATTGAAATGTTCTTAAATTTATAAACCTTGTGACACATTGGTATAAGATGAAAAAATTACATACA

2380

PRKN

PRKN-206

GAATGACTTGCCACATTATTTGTAACCTCAAACCTCTTCAATTGTGCTTAAATATTCTGCAAAACAAAGGGTCGCTTTTTATCAAAA
CTTACTGAACGGTGTAAATAAACATTGAGTTTGGAGGAAGTTAACACGAATTTATAAGACGTTTGTTCAGCGAAAAATAGTTTT

2465

PRKN

PRKN-206

CAGAGAAATCATTGGTTACAAATAACTCTTTGGCATTGTCAAGGAAAGCATTTATAAGTCTTTTTATATATAAATTGAGAACTTTA
GTCTCTTTAGTAACCAATGTTTATTGAGAAACCGTAACAGTTCCTTTTCGTAAATATTCAGAAAAATATATATTAACCTCTTGAAT

2550

PRKN

PRKN-206

CTTAACCTTTAATTTACCGCTCTTTAACCTGGCCCATTTGGGGTGAAATCATCTCTGGATCGATCAATTAACATTTATATGTAGAT
GAATTGGAAATTAATGGCGAGAAATTGGACCGGGTAACCCCACTTTAGTAGAGACCTAGCTAGTTAATTGTAAATATACATCTA

2635

PRKN

PRKN-206

AATTAGAGCAAAGGGCACACAGGAATGTCAGGAGGAACAAAAGACCCATGAGAGGATAAGTCCTGGCGGGTCTCTGCTCTGAAATG
TTAATCTCGTTTCCCGTGTGTCTTACAGTCCTCTTGTCTTCTGGGTACTCTCTTATTGAGGACCGCCAGGACGAGACTTTAC

2720

PRKN

PRKN-206

TCACCCGTTCTTCTTCTCATTTCCTCCAGAGCCATTTGCACATCATAGTCCAGTTCTTAGTAACTCATGTCTAAATTATCAA
AGTGGGCAAGAAGAAGAGTAAAGGTGAGGGTCTCGGTAAACGTGTAGTATCAGGTCAAGAATCATTGAGTACAGATTTAATAGTT

2805

PRKN

PRKN-206

AATGACCTCAAGTAGTTCTCACTACTTCCAGCTTTCCCTCCATACTTCTGTCTGGAGCTAAACTTACTAAAACATCATTCCCTTCC
TACTGGAGTTCATCAAGAGTGATGAAGGTCGAAAGGGAGGTATGAAGACAGCCTCGATTTGAATGATTTTGTAGTAAGGGAAGG

2890

PRKN

PRKN-206

CATGTTTAAAACTCTCTTAGTACATTCTGGCTGCTATAACAAAATCCCATAAACTGGTGGCTTATAAACAACAGGAATTTATTT
GTACAAAATTTTGGAGAGAATCATGTAAGACCGACGATATTGTTTTAGGGTATTTGACCACCGAATATTTGTTGTCTTAAATAAA

2975

PRKN

PRKN-206

CTCACGGTTCGGGAGACTGGGAAGTCTTAGATCAAAGCACTGGCAGATCCAGTGTCTGGTGAGATCCCCACTTCTGGTTCATAG
GAGTGCCAAGGCCTCTGACCCCTCAGGATCTAGTTTCGTGACCGTCTAGGTCACAGACCACTCTAGGGGTGAAGGACCAAGTATC

3060

PRKN

PRKN-206

ACGGTGGCTTCTCACTGTGTCTCATATGGTGGAACTGTGTGGGAGCTTTCCGGGGTCTCTTTAAAAGGGCACTCATTTTATTC
TGCCACCGAAGAGTGACACAGGAGTATACCACCTTGCACACACCCCTCGAAAGGCCCCAGAGAAATTTCCCGTGAGTAAATAAG

3145

PRKN

PRKN-206

ATGAGGGCTCTTCTCTCACACCATTCACTTCCCTAAAGACCCCGTGTCTAACACCATCATTTTTGGAGATAAGGATTTTAAACATAC
TACTCCCAGAAAGAGAGTGTGGTAAGTGAAGGATTTCTGGGGCACAAGATTGTGGTAGTAAAACCTCTATTCCCTAAAATTGTATG

3230

PRKN

PRKN-206

GAATTTTGGGGAACACAAACATTCAGACCATAGCAGAAACCTTCAGTGAATCCCACAGTCTAGAGGCCTTATGCTAGGTGTGTCT
CTTAAAACCCCTTGTGTTTGTAAAGTCTGGTATCGTCTTTGGAAGTCACTTAGGGTGTGAGATCTCCGGAATACGATCCACACAGA

3315

PRKN

PRKN-206

CCTAGAGTCAACCCTGATCCCTGGCCAGAATCTCCTCTGTTCTCAACTCTTTTTCATCTTGTCCCCACCATTTTCTGATACATC
GGATCTCAGTTGGGACTAGGGACCGGTCTTAGAGGAGACAAGAGTTGAGAAAAGTAGAACAGGGGGTGGTAAAAGGACTATGTAG

3400

PRKN

PRKN-206

TTTTTGATCAGCCACCTGATTTCTCTTCTGTTCCAAGCATACTTGCATGTCTGTGATTCCCTTCCTGCTTAGAAACAACATTTCT

AAAAACTAGTCGGGTGGACTAAAGAGAAGACAAGGTTCTGATGAACGTACAGACACTAAGGAAGGACGAATCTTTGTTGTAAAGA

3485

PRKN

PRKN-206

TTCCAGTGACCAAACATCAATCCTCCCGTTTTCTTTAAATTCAATTCAAGTTCCTAATGGATCCATCCTGACTCAATAATTCTCT

AAGGTCACCTGGTTTGTAGTTAGGAGGGCAAAGAAATTTAAGTTAAGTTCAAGGGATTACCTAGGTAGGACTGAGTTATTAAGAGA

3570

PRKN

PRKN-206

TTTCCTAACTTTTCGGGCTCCCAGAGTTTGGGGATTACAGATACTTCCTTGTAATACTTGTTCCATGGTAATCTTATGTCTCTCAA

AAAGGATTGAAAGCCCGAGGGTCTCAAACCCCTAATGTCTATGAAGGAACATTATGAACAAGGTACCATTAGAATACAGAGAGTT

3655

PRKN

PRKN-206

CTACGCCCTGTGATTGTGTAAGCCAAGTATAACTATAAGGTATTTATCCACTCACTGGGTGCTGTAGTCCACATGCATTTACTAA

GATGCGGGACACTAACACATTCGGTTCATATTGATATTCCATAAATAGGTGAGTGACCCACGACATCAGGTGTACGTAAATGATT

3740

PRKN

PRKN-206

GTGCCTACTTTAGTCAAAGTAGATGTTCAATAAGAAATTTAGTGAACAACATGTAAATGAGAGCAGAGAAATTATAAAAAGTATGA

CACGGATGAAATCAGTTTCATCTACAAGTTATTCTTTAAATCACTTGTTGTACATTTACTCTCGTCTCTTTAATATTTTCATACT

3825

PRKN

PRKN-206

GAAACTACAAAAATAGTGACCCATTCATTTATCCACTAGAATAATCAATAACTCTTGATTACAAAACGATCAGGTGCTCAGCATT

CTTTGATGTTTTTATCACTGGGTAAGTAAATAGGTGATCTTATTAGTTATTGAGAACTAATGTTTTGCTAGTCCACGAGTCGTAA

3910

PRKN

PRKN-206

GTATTTGATGAGGCATGGGTCATGAAAGGGTTAAGCAAGTAGGGTCTCTACAATTTTCATGACTTTTTCATTTAATGTTGATAGCTA

CATAAACTACTCCGTACCCAGTACTTTCCCAATTCGTTTCATCCAGAGATGTTAAAGTACTGAAAAGTAAATTACAACATATCGAT

3995

PRKN

PRKN-206

AGGAAGGAGTATATGAAACACTTTAAACA AAAAGTCAGGCCAGTATTGAAGTACATTACAGATGAACTTTTTAAATAACTATTGAA

TCCTTCCTCATATACTTTGTGAAATTTGTTTTTCAGTCCGGTCATAACTTCATGTAATGTCTACTTGAAAAATTTATTGATAACTT

4080

PRKN

PRKN-206

GAAAGGTAAAGAAAAAGGGAAGAGGCAGTGAGGTGTTAGGCTCCAGAGAAAAGTTCCTTGGAGATCTTTAGTCTTGAACCTGGACCT

CTTTCCATTTCTTTTTCCCTTCTCCGTCACTCCACAATCCGAGGTCTCTTTCAAGGAACCTCTAGAAATCAGA ACTTGACCTGGA

4165

PRKN

PRKN-206

AGGAATTTGTGATTTGGCTTTGAATATGAAGGTGAGTATTACCGTGAGACTAGATGGCAAAGAGCATGCATCTAGGTGTACAGGA

TCCTTAAACACTAAACCGAAACTTATACTTCCACTCATAATGGCACTCTGATCTACCGTTTCTCGTACGTAGATCCACATGTCTCT

4250

PRKN

PRKN-206

ACTAGAAGAATCCTAGGCTACGCAAGGACCTTCCCAGCTGGAGGGGACGGAGGTGCGGAGAGAACAGGATGGACGGTAGGGGAGG
TGATCTTCTTAGGATCCGATGCGTTCTTGGAAAGGGTCGACCTCCCCTGCCTCCACGCCTCTCTTGTCTACCTGCCATCCCCTCC

4335

PRKN

PRKN-206

GGCAGTTTTATTTTACGAGGATGAAATGAAAGGAAGTCTGCGAAGTTCTTAGCAAGCCACCTAACCCGAAGTAGGTGCCATAAAC
CCGTCAAATAAAATGCTCCTACTTTACTTTTCTTCCAGACGCTTCAAGGATCGTTTCGGTGGATTGGGCTTCATCCACGGGTATTTG

4420

PRKN

PRKN-206

ACTAGCTTTCCCTCCTCTTTGATTTAGCATTAGGAAGTTAATGATGTAGACCTTCTAGCCATGAAAAGATTTTTACTCCTTTTC
TGATCGAAAAGGGGAGGAGAACTAAATCGTAAATCCTTCAATTACTACATCTGGAAGATCGGTACTTTTTCTAAAAATGAGGAAAG

4505

PRKN

PRKN-206

CTTAGGTGATTAATCTAATAACTTTTTATTGGTGTGATGTTTATTCTCACCTAACTTTCCAAAACACTACAAGGAATATCTTAATA
GAATCCACTAATTAGATTATTGAAAAATAACCACAGTACAAATAAGGAGTGGATTGAAAGGTTTTGATGTTCTTATAGAATTAT

4590

PRKN

PRKN-206

GGAGAGGAGCAATCTTAGCTCACAGCTGTATCAAGAATTCCAGGTGACTGATAATTCTATGTGAAATGCACATATACACCGTCTT
CCTCTCCTCGTTAGAATCGAGTGTGACATAGTTCTTAAGGTCCACTGACTATTAAGATACACTTTACGTGTATATGTGGCAGAA

4675

PRKN

PRKN-206

TATAACATTATCTGTGATGTGCGTGTGTGTATATAAAGGCAGCATATATACTTTTCTATATCTTCATCTGTGTATCTTAGCACA
ATATTGTAATAGACACATACACGCACACACACATATTTCCGTGCTATATATGAAAAGATATAGAAGTAGACACATAGAATCGTGT

4760

PRKN

PRKN-206

TACATTCATATATTGATATCTGTATCTATCATTATCTATATCTGTATATAGGTATATATCCAAGTTGACTGTGTATGTATAGTA
ATGTAAGTATATAACTATAGACATAGATAGTAAATAGATATAGACATATATCCATATATAGGTTCAACTGACACATACATATCAT

4845

PRKN

PRKN-206

ATAGACAATCAGAATTCCTGAATGACTCATTATCATTTTTTGACTCCCTGTAACCTTGTAATTTCTTTCTTTTCCGAAGAGGACA
TATCTGTTAGTCTTAAGGACTTACTGAGTAAATAGTAAAACTGAGGGACATTGAACATTTAAAGAAAAGAAAAGGCTTCTCCTGT

4930

PRKN

PRKN-206

TGCAGAAACACACACAACATTCCAGCTTCCCCGGTTGCATTCCACACCTGCGTCTGGGCAGTGGCGTTTCTTCAAGGGAGTTACA
ACGTCTTTTGTGTGTTGTAAGGTGCAAGGGGCCAACGTAAGGTGTGGACGCAGACCCGTCACCGCAAAGAAGTTCCCTCAATGT

5015

PRKN

PRKN-206

TGAGTCTCTGTCTTCACTTCCAATGCTAGTCCCTTCACTGCTCACTCTCTGGTAACCCACTGTTACCTGGTGCCAATTTCTCCTA
ACTCAGAGACAGAAGTGAAGGTTACGATCAGGGAAGTGACGAGTGAGAGACCATTGGGTGACAATGGACCACGGTTAAAGAGGAT

5100

PRKN

PRKN-206

TTTTTTATTCAAGGTAGACATCCTCAGTTCAAGGAGGTTGAGGTGGCCTGGTGCAGCTGTAGCTTAGTTTTTCAGTAGGACTCTTC

AAAAAATAAGTTCATCTGTAGGAGTCAAGTTCCTCCAACCTCCACCGGACCACGTCGACATCGAATCAAAAAGTCATCCTGAGAAG

5185

PRKN

PRKN-206

CTGTGTCCCTAGGAAGATACACTTCACTCTGTGGGAACCAAACTCTGGACCCACCGCATCTGCAGCTGTCTATGCTTCACTGCC

GACACAGGGATCCTTCTATGTGAAGTGAGACACCCTTGGTTTTGAGACCTGGGTGGCGTAGACGTCGACAGATACGAAGTGACGG

5270

PRKN

PRKN-206

AGTTGCAGGATGGGTAAGATGGACTATTTATATTGGAAGGTGTGCACTTCCAGGCCCAAGACTTGGACCTCTAAACTTTCCCTA

TCAACGTCCTACCCATTCTACCTGATAAATAAACCTTCCACACGTTGAAGGTCCGGGGTTCTGAACCTGGAGATTTGAAAGGGAT

5355

PRKN

PRKN-206

ATGTCCTAATGGCTCCTGTCACTGCACAGGGTTGATTTACACCATGGCCGCCAACGTAGTGCTTGTCTTCTGTTAATGTTCTC

TACAGGGATTACCGAGGACAGTGACGTGTCCCAACTAAAGTGTGGTACCGGCGGTTGCATCACGAACAAAGAACAATTACAAGAG

5440

PRKN

PRKN-206

CAAATAGCAGGATGTCATTAATAGAGTAGGACAATTGATGTTCCATGTGTTGTCTAGATGGTATGAGTCATTTGGGATCATATTA

GTTTATCGTCTACAGTAATTATCTCATCCTGTTAACTACAAGGTACACAACAGATCTACCATACTCAGTAAACCCTAGTATAAT

5525

PRKN

PRKN-206

AAACTGAAGGAGACAACATAGAAGTGTGCTGTTGTCCATCCATGTGAGAGAGAACTCTTCTAACAGGAATGGAAAAGCCTGCAG

TTTGACTTCTCTGTTGATATCTTACACGACAACAGGTAGGTACACTCTCTCTTGAGAAGATTGTCCTTACCTTTTTCGGACGTC

5610

PRKN

PRKN-206

AAGCTACACTGATGGCCGCATACCACGCAGCCATGGCTTTCTGGGCCACTGTGGCGGGAGTTCGTGGGCTGACCATTTAGGCTCT

TTCGATGTGACTACCGGCGTATGGTGCCTCGGTACCGAAAGACCCGGTGACACCGCCCTCAAGCACCCGACTGGTAAATCCGAGA

5695

PRKN

PRKN-206

GTAAGTTTTCTTTATGTTTTCTCTACAGGGTCAATTTCTAAGCTTTTTTGTGTTGTTGTTTTGAGGCAGAGCCTCACTCTGTAGC

CATTCAAAAGAAATACAAAGGAGATGTCCAGTAAAGATTGAAAAAACAACAACAACAACAACTCCGTCTCGGAGTGAGACATCG

5780

PRKN

PRKN-206

CCAGGCTGGAGTGCAGTGGTGCATCTCGGCTCACTGCAAGCTCCCGCGTTCATGCCATTCACCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGC

GGTCCGACCTCACGTCACCACGCTAGAGCCGAGTGACGTTTCGAGGGCGCAAGTACGGTAAGTGACGGAGTTCGGAGGACTCATCG

5865

PRKN

PRKN-206

TGGGATTACAGGCGCCCGCCACCACGCCGGGCTAATTTTTTGTATTTTTGGTAGAGACGGGCTTTTCGCTGTGTTAGCCAGGATGA

ACCCTAATGTCCGCGGGCGGTGGTGCGGCCCGATTAAAAAACATAAAAAACCATCTCTGCCCGAAAAGCGACACAATCGGTCTACT

5950

PRKN

PRKN-206

TCTCCATCTCCTGACCTCGTGATCCGCCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCCTGGCCTCT
AGAGGTAGAGGACTGGAGCACTAGGCGGACGGAGTCGGAGGGTTTTACGACCTAATGTCCGCACTCGGTGGTGCGGACCGGAGA

6035

PRKN

PRKN-206

AAGCTTTCTTTTTAACTTTGTTATATACAGGCACATTTTCATAAATGTTCTAATATTTTCTCCATGAATTAGTAGCAGATTGGGA
TTCGAAAAGAAAAATTGAAACAATATATGTCCGTGTAAGGATTTTACAAGATTATAAAAAGAGGTACTIONAATCATCGTCTAACCT

6120

PRKN

PRKN-206

GGTCTATAAAGGTTTTAGTCTACCATGTTGCTGAAAGCAAGATGGAGAATATTTTTTACATAACAGCTGTGAGAGAAAAAGGTAG
CCAGATATTTCCAAAATCAGATGGTACAACGACTTTTCGTTCTACCTCTTATAAAAAGTGATTGTGCGACACTCTCTTTTTCCATC

6205

PRKN

PRKN-206

AATACAGCAGCTTCATAGGGTCGCAAAGTGAAAAAAGTATGTGTGTGCTTGAGCATGTGTATGCGAGTGACTGTTTTGGTTAGAAA
TTATGTCGTGGAAGTATCCAGCGTTTTCACTTTTTTTCATACACACACGAACCTCGTACACATACGCTCACTGACAAACCAATCTTT

6290

PRKN

PRKN-206

TAGGAAAAGCATTATGAAGGACTTGGATAGGTTCCAAGAGGGGAAAAGGAGAAGCCGCACCTTTAGGTGCGCCCTTGCTCAGATTAA
ATCCTTTTCGTAATACTTCTGAACTATCCAAGGTTCTCCCTTTCTCTTCGGCGTGGAAATCCACGCGGGAAACGAGTCTAATT

6375

PRKN

PRKN-206

GTTGACCGATTACTTACACATCCATGGCATTAAAAATACCAAGGAATTGTATTTTCTTTGTTTGTATTACATATTGCTTTGAAGTA
CAACTGGCTAATGAATGTGTAGGTACCGTAATTTTATGGTTCCTTAACATAAAAAGAAACAAACATAATGTATAACGAAACTTCAT

6460

PRKN

PRKN-206

AGTGGGATAACAGAATTTTGAAAATCTTTTAGGTGTTAAGAAATTATCTTTTATATTATTAGTATTATTCATTTCTCTAGAAAA
TCACCCTATTGTCTTAAACTTTTAGAAAATCCACAATTCTTTAATAGAAAATATAATAATCATAATAAGTAAAGAGATCTTTTT

6545

PRKN

PRKN-206

GGGCTTTTGAAGAGCTCTTATAGGCGTTAAAGATTGGGTATAAAAATGAACATGTTTTATTTTGTATTTTGTGTTACAATTACATAGGA
CCCGAAAACCTCTCGAGAATATCCGCAATTTCTAACCCATATTTTACTTGTACAAATAAAACATAAAACAATGTTAATGTATCCT

6630

PRKN

PRKN-206

AATAGGCTTATCTAAATAGACTCCAATAACTTTCTTACTATTAATAATCGCCTTGGGGCTGATTTCAAATTCATGTATTGAGCTTG
TTATCCGAATAGATTTATCTGAGGTTATTGAAAGAATGATAATTTTAGCGGAACCCCGACTAAAGTTTAAGTACATAACTCGAAC

6715

PRKN

PRKN-206

TCTCCTGTTTACATAAACTTGTGTGGTTCGTTTTCCAGTAAAAATACATGGCTTTTTAAGATTTTTTTTTTCTACAGAGTATTTTA
AGAGGACAAAACCTGATTTGAAACACACCAAGCAAAAAGGTCATTTTTATGTACCGAAAATCTAAAAAAAAGATGTCTCATAAAAT

6800

PRKN

PRKN-206

AAGGGATAAAAAAAAAATTAGGATTTATATATATTGATTAATTAGTAATCCCATACCATACTCTGAGAACTGAATATTTGGATGG
TTCCCTATTTTTTTAATCCTAAATATATATAACTAATTAATCATTAGGGTATTGGTATGAGACTCTTTGACTTATAAACCTACC

6885

PRKN

PRKN-206

TTTCGAGATGGCACAATAGACAAAATCTTGCAGTAGAAGAATCCCTGTTGGATAACCTTTTTATCCCTAAATTCTACTTTTTTATT
AAAGCTCTACCGTGTTATCTGTTTTAGAACGTCATCTTCTTAGGGACAACCTATTGGAAAATAGGGATTTAAGATGAAAAAATAA

6970

PRKN

PRKN-206

TGCCAATAAAATGTGAGAAAATGTTTAACGTTTTTACTTTGATGCAATAGTAATTTTTCTTTTGATAGTGGGGAAATTCAGATTC
ACGGTTATTTTACACTCTTTTACAAATTGCAAAAATGAAACTACGTTATCATTAAAAAGAAAACCTATCACCCCTTTAAGTCTAAG

7055

PRKN

PRKN-206

TATTGTTATAACATAGTTATAATTAATTAACCAAGGAATTTATTTTTCTTTGTTTTGTATTACATATTGCTTTAAAAATAAGTGGG
ATAACAATATTGTATCAATATTAATTTAATGGTTCCTTAAAATAAAAGAAAACAAAACATAATGTATAACGAAATTTTATTACCC

7140

PRKN

PRKN-206

ATAGCAGAATTTTGAAAATCTGTTATTTCACTGTTGAATTTTCTCTAATTATGTTTATGGGATTACTAGTAAATCACTATATACA
TATCGTCTTAAAACCTTTAGACAATAAAGTGACAACCTTAAAAGAGATTAATACAAATACCCTAATGATCATTTAGTGATATATGT

7225

PRKN

PRKN-206

AGTCCTAAATTTTTGATTCCCTTAAAATACTTTGGAGGAAAAAATATTTAAAATGTTTTAAAGATTTAAATTTTTAAACAT
TCAGGATTTAAAAAACTAAGGGAATTTTATGAAACCTCCTTTTTTATAAATTTTACAAAATTTCTAAATTTAAAAATTTTGTA

7310

PRKN

PRKN-206

PCR Forward

actttacaatgcctggtactatggg

TCATTTAAAACCTTTACAATGCCTGGTACTATGGGAATAGCAAAAATAAACATAGGAACTACTTTCCAGGAGATCACAGTCTATGAG
AGTAAATTTTGAAATGTTACGGACCATGATACCCTTATCGTTTTATTTGTATCCTTGATGAAAGGTCCTCTAGTGTGATGACTC

7395

PRKN

PRKN-206

AAAGGAGAAGATATGAATACTGTGGTGTAAATAACGGATCAATAGAAATATATACAAGCAGATGGGATGATTTGATAGGTTAATTG
TTTCTCTTCTATACTTATGACACCACATTATTGCCTAGTTATCTTTATATATGTTTCGTCTACCCTACTAAACTATCCAATTAAC

7480

PRKN

PRKN-206

GGAATTCTGAGTCAGGGAAGACTTCCAGAAAAGAGATTATATTTTAGCTCAGGTTTAATCAAAAAGATTGATAAATGTGTTAACATA
CCTTAAGACTCAGTCCCTTCTGAAGGTCTTTCTCTAATATAAAATCGAGTCCAAATTAGTTTTCTAACTATTTACACAATTGTAT

7565

PRKN

PRKN-206

AAAAATGTAATAATTAGGAGAATCAGTTTTCTATGTTAGTTCATTGAGTGCCTCCAATTTTTAAGATGTTGTGTTGGTATACATGAG
TTTTTACATTTTAATCCTCTTAGTCAAAAAGATACATCAAGTAACTCACGGAGGTTAAAAATTCTACAACACAACCATATGTA

7650

PRKN

PRKN-206

Sanger Sequencing Primer

tctttgcacagagcacagtc

CTTAATGCTTAGCAGCTCCGGTCTTTGCACAGAGCACAGTCTACACAACCCCTCCAGGATTACAGAAATTGGTCTAAAGCACGTGC
GAATTACGAATCGTTCGAGGCCAGAAACGTGTCTCGTGTCCAGATGTGTTGGGAGGTCTAATGTCTTTAACAGATTTCTGTGCACG

7735

PRKN

PRKN-206

TGCCTTTCCACACTGACAGGTACTAGAGGAAACATCTTCTTTCTCTCTGCAGGAGCCCCGTCTGGTTTTCCAGTGCAACTCCC
ACGGAAAGGTGTGACTGTCCATGATCTCCTTTGTAGAAGGAAAGAGAGACGTCTCGGGCAGGACCAAAGGTACGTTGAGGG

7820

PRKN

PRKN-206

S P V L V F Q C N S
ENSE00002169394
PRKN-206

gRNA Protospacer

GTGTGACAAGACTCAATGAT

GCCACGTGATTTGCTTAGACTGTTTCCACTTATACTGTGTGACAAGACTCAATGATCGGCAGTTTTGTTACGACCCCTCAACTTGG
CGGTGCACTAAACGAATCTGACAAAGGTGAATATGACACACTGTTCTGAGTTACTAGCCGTCAAACAAGTGCTGGGAGTTGAACC

7905

PRKN

PRKN-206

R H V I C L D C F H L Y C V T R L N D R Q F V H D P Q L G
ENSE00002169394
PRKN-206

Donor Template WT -> SNV

gRNA Protospacer Sequence

PAM

Silent SNV
SNV

TGACAAAGGTGAATATGACACACTGTTCTGAGTTACTGACCGTCAAACAAGTGCTGGGAGTTGAACC
Donor Template Wt -> SNV

CTACTCCCTGCCTTGTGTGGGTAAGTCTAGCATGTTTTCTCTCCATCTCTAATGCTAATGAAGAACAGAAGAACAATTATTGATG
GATGAGGGACGGAACACACCCATTTCAGATCGTACAAAAGAGAAGGTAGAGATTACGATTACTTCTTGTCTTCTTGTAAATAACTAC

7990

PRKN

PRKN-206

Y S L P C V G K S S M F S L H L *
ENSE00002169394
PRKN-206 (in frame with PRKN-206)

Donor Template WT -> SNV

GATGAGGGACGGAACACACCCatttcagatcgtat

Donor Template Wt -> SNV

TAAACTGGCTTAGATATACGTAAACCCTAGCAGAAGAATTTAAATTTGATCATTGCTGGATATGAAACATTAATGTTTGGATCG
ATTTTGACCGAATCTATATGCATTTGGGATCGTCTTCTTAAATTTAAACTAGTAACGACCTATACTTTGTAATTACAAACCTAGC

8075

PRKN

PRKN-206

CAAAAAGATAAAAAGTTCTGGGGAATGAAGGAATTGTGTTGAACTGGAAAATGCATTATTTGCATAAAGGCATTGAGAATAAAGTTTG
GTTTTCTATTTTCAAGACCCCTTACTTCCTTAACACAACCTTGACCTTTTACGTAATAAACGTATTTCCGTAACCTTTATTCAAAC

8160

PRKN

PRKN-206

TCAATATTATTCAGCCAAGGTATACTAAGTTTTTCTGTGGGTTAGAGTCACTCTCCATGTTCTAGATTTGTTACCGTGGAAGTAG
AGTTATAATAAGTCGGTTCATATGATTCAAAAAGACACCCAATCTCAGTGAGAGGTACAAGATCTAAACAATGGCACCTTGATC

8245

PRKN

PRKN-206

ggtacaagatctaaacaatggcacc

PCR Reverse

AGCAGTATTACCTAATTTTTAAATCGTATACCTCTATCACTCAAAATGTTGAACACATACCCAATATATATAAAAATAACATATGT
TCGTCATAATGGATTAAAAATTTAGCATATGGAGATAGTGAGTTTTACAACCTTGTGTATGGGTTATATATATTTTATTGTATACA

8330

PRKN

PRKN-206

GAAAAAGAAAGCAGAATGAGATAAACCTGAACTACTTAATATTTTTATCTTTTCACATTACAAAAGCACCCCTTTACTTGTACTATAC
CTTTTTCTTTCGTCTTACTCTATTTGGACTTGATGAATTATAAAATAGAAAAGTGTAATGTTTCGTGGGAAATGAACATGATATG

8415

PRKN

PRKN-206

TGTTATTACATATATACATTTAATGGAAGTGAAATTCATGTAACCAATTAACCATTTACAAGGTACAATTCAGTGGCATTTTG
ACAATAATGTATATATGTAATAATACCTTCACCTTAAAGTACATTGGTTAATTGGTAAATGTTTCACATGTTAAGTCACCGTAAAAC

8500

PRKN

PRKN-206

TGCATTACAATGTTGCACAACCACTACCTCTGCCTGGCTTCAAACCTTTCTGAACACCTCCTACCCAGCTAATCACTGCCTGTG
ACGTAAGTGTTACAACGTGTTGGTGATGGAGACGGACCGAAGTTTTGAAAGACTTGTGGAGGATGGGTCGATTAGTGACGGACAC

8585

PRKN

PRKN-206

ACCCCTGTCTAGCCCTGGCCACCACCAATCACTTTCTTTCTCTATGGATTTGCCTATTGTAGGATTTTCTATAAAAAGAAATC
TGGGGGACAGGATCGGGACCGGTGGTGGTTAGTGAAAGAAAGAGATACCTAAACGGATAACATCCATAAAGGATATTTTCTTTAG

8670

PRKN

PRKN-206

GTACAATAGGTGACCTTTCGTGTCTGCCTTATTTCACTTAGCATAGTGATTTTGGGTTTATTCAAGTTGTAGCGTGTATGAATA
CATGTTATCCACTGGAAAGCACAGACGGAATAAAGTGAATCGTATCACATAAACTCCAAATAAGTTCAACATCGCACATACTTAT

8755

PRKN

PRKN-206

TTTCTTTCTCTTTGTGGCTGAATAATATTCCACTGTGTGGATACCCACAATTTGTGTGTCCATTCATCTGCTGATGGGCATTT
AAAGAAAGGAGAAACACCGACTTATTATAAGGTGACACACCTATGGGGTGTAAACACACAGGTAAGTAGACGACTACCCGTAATA

8840

PRKN

PRKN-206

GTGTTGTTTCCGCTCTTTTTGGCTATTATGAATAATGCCGTTGTA AACATTTCATATATAAGTTTCTGTATGAACATTTGCTTTTCAT
CACAAACAAAGGCAGAAAAACCGATAA TACTTATTACGGCAACATTTGTAAGTATATATTCAAAGACATACTTGTAAACGAAAAGTA

8925

PRKN

PRKN-206

TTACCTTGGATATATACCGAGAAGCAGAATTCGAAGTTTAACTTTAGGAGA ACTGCCCACTGTGTTCCACAGCTGCTGTACCGT
AATGGAACCTATATATGGCTCTTCGTCTTAAGCTTCAAATTTGAAATCCTCTTGACGGGTGACACAAGGTGTGCGACGACATGGCA

9010

PRKN

PRKN-206

TTTATATTGCCACCAGCAGTGTAGCAATGTCCCAGGTTTCTCTCTCCACATTCTTGTCGTC ACTTGTACTGTTTCTAACTAG
AAATATAACGGTGGTCGTCACATCGTTACAGGGTCCAAAGAGAGAGAGGTGTAAGAACAGCAGTGAACAATGACAAAGATTGATC

9095

PRKN

PRKN-206

TCATCCTAGTAAGTGTGAAGTGGTGTCTTATTGTGGATTTGATTTTCATTTCTCTAATGACTGTGATGTTGATTATCTTAATTCA
AGTAGGATCATTACACTTCACCACAGAATAACACCTAAACTAAAAGTAAAGAGATTACTGACACTACAAC TAATAGAATTAAGT

9180

PRKN

PRKN-206

TATCTCTTCCTTATAAGAATGTCGGTTCAAGTCCTTTCTTTGCTCATTTTTAAATTTGAGTTATGTTTTTGTGTTGAGTTGTAAG
ATAGAGAAGGAATATTCTTACAGCCAAGTT CAGGAAAGAAAACGAGTAAAAATTTAACTCAATACAAAAACAACA ACTCAACATTC

9265

PRKN

PRKN-206

AGTTCTTTATATATTCTGGATACTGGATCCTTACCAGATATAGGATATGCACATATTTCTCCCATTCTATAGGTTGTCTTTTCAC
TCAAGAAATATATAAGACCTATGACCTAGGAATGGTCTATATCCTATACGTGTATAAAGAGGGTAAGATATCCAACAGAAAAAGTG

9350

PRKN

PRKN-206

TTTCTTCATAACGTCCTTTGGTGAACAAAAGTTTCTAGTTTTGATGAAATGCAATTTATCTGTTTTTGTGTTGTTGCTAATACT
AAAGAAGTATTGCAGGAAACCACTTGTTTTCAAAGATCAAAC TACTTTACGTTAAATAGACAAAAACAACAACGATTATGA

9435

PRKN

PRKN-206

TTTTGTGTCAAACAAAAGACTTCATTGCCATATCTGAGATCATGATGATTTGCTTCCATATTTTCTACCAATAGCTTACCTCTTG
AAAACACAGTTTGTCTTCTGAAGTAACGGTATAGACTCTAGTACTACTAAACGAAGGTATAAAGATGGTTATCGAATGGAGAAC

9520

PRKN

PRKN-206

TATTTAGGTCATTAATCTAGTTTGAGGTAATTTATGTACCTGGAGTGAAGTAAAAGTTCCATCTCTCTCTATGTATAAATGACT
ATAAATCCAGTAATTAGATCAAACCTCATTAAATACATGGACCTCACTTCATTTTTCAAGGATAGAGAGAGATACATATTTACTGA

9605

PRKN

PRKN-206

GCAATGTGACTAAATATGTTTTCATTAATTCTTCAAACCTTAATTTGAAACTATGGGATACCTTGACTCAATGGTGAGGTTTTAAG
CGTTACACTGATTTATACAAAAGTAATTAAGAAGTTTTGAATTAACCTTTGATACCCTATGGAAC TGAAGTTACCACTCCAAAATTC

9690

PRKN

PRKN-206

TTCAATTTATTTCAAGATTTAGTTTTAATGTCAATTATAGCTGAAAAATATACCTCCAAATGATAAAAAAGATCCAAATGGAATAA
AAGTTAAATAAAGTTCTAAATCAAAATTACAGTTAATATCGACTTTTTATATGGAGGTTTACTATTTTTCTAGGTTTACCTTATT

9775

PRKN

PRKN-206

ATTAATTTCTTTGTTGACTTTGTAAATTATGATACTCACTTTTTAAGCATATCTACCAATAATGCAATGATTTTTAAACTAAGAT
TAATTAAGAAACAACACTGAAACATTTAATACTATGAGTGAAAATTCGTATAGATGGTTATTACGTTACTAAAAATTTTGATTCTA

9860

PRKN

PRKN-206

TCACATAATATATGTTAACATATTGTTAAGGAAAACCTTGTGAAAGTTATTGTGCCTTTCTTTTTAACAAAAGCATCCAAAATCT
AGTGTATTATATACAATTGTATAACAATTCCTTTTTGAACAACCTTTCAATAACACGGAAAGAAAAATTGTTTTCGTAGGTTTTAGA

9945

PRKN

PRKN-206

AGTGAAGTTTATTATTTACAGATTGGAAAACCTCTGTAATGCTTTTTAATGTGACAATTTTGTGTTTGGTAAGCCTTCTGCCTTCACA
TCACTTCAAATAATAAATGTCTAACCTTTTGAGACATTACGAAAATTACACTGTTAAAAACAAAACCATTTCGGAAGACGGAAGTGT

10,030

PRKN

PRKN-206

AAGCCACAAACAATAGAAACATTTCTAAACACACATTTTCAAGTCTTCCCTTCACACTCTATCTTTTTAGTTATCAGTTCATTTT
TTCGGTGTGTTGTTATCTTTGTAAGATTTGTGTGTAAGGTTTCTGTAAGGTTTGTGAGATAGAAAAATCAATAGTCAAGTAAAA

10,115

PRKN

PRKN-206

GAACCCATTTTCTTTAATGTGTATCTTTTTATTTAGACGATTTCAAACATACAAAAGTAAGGAAAAATACTACAGTGAACCTT
CTTGGGTAAAAGAAAATTACACATAGAAAAATAAAATCTGCTAAAGTTTGTATGTTTTTCATTCCTTTTTATGATGTCACCTTGGAA

10,200

PRKN

PRKN-206

CCTGCACCCATTAGTCAGGATTTGCAGTGTACCAAGGTGCTCTCGACCTTTCTTGTAAATTCGCGCCGAATGACCTGCAAGCAGCC
GGACGTGGGTAATCAGTCCTAAACGTCACATGGTTCCACGAGAGCTGGAAAGAACATTAAGAGCGGCTTACTGGACGTTTCGTCCG

10,285

PRKN

PRKN-206

ATTTTTCTCAGGACCTCTGGCTCCCTTTTCGTAGGAAAATAGTATTTAAAAGTCTTGGTGCTTGGAAATGCTCATTGTCACCATGTTG
TAAAAGAGTCTTGGAGACCGAGGGAAAGCATCCTTTATCATAAATTTTTCAGAACCACGAACCTTACGAGTAACAGTGGTACAAC

10,370

PRKN

PRKN-206

GTTACTGTTTCTAGGCCTAGTGGAAATAAGCTAGGAGACTTTTTTTTTTTAAGTACAAATGCAATATTAGTTATACTAACATTTT
CAATGACAAAAGATCCGGATCACCTTATTTCGATCCTCTGAAAAAATAAATTCATGTTTACGTTATAATCAATATGATTGTAAAA

10,455

PRKN

PRKN-206

CAGTTCAAATCCAGTGTACCAAATTTTCATTGAAAAGTCACCAATATTACAACACTGTTGTTTCTTTACCCCTTGGCAAAAATTCT
GTCAAGTTTAGGTACAATGGTTTTAAAAGTAACTTTTCAGTGGTTATAATGTTGACAACAAAAGAAAAGTGGGAACCGTTTTTAAGA

10,540

PRKN

PRKN-206

GTTACTGAGTGATACCAACAAAATTACTCATTTGCCTTACTTTGGAATGCACCCACAACAGTATCAGTATTACAGTATCGACACC
CAATGACTCACTATGGTTGTTTTAATGAGTAAACGGAATGAAACCTTACGTGGGTGTTGTCATAGTCATAATGTCATAGCTGTGG

10,625

PRKN

PRKN-206

ATCACCTAAGTGTGATTATTGAAAACAATGTTAAGATTTTTGCAGTTTGTGTTTGCATTAGGGTATATCCTTATAGGGATATAAA
TAGTGAGATTACACTAATAACTTTTGTACAATTCTAAAAACGTCAAACAAAACAGTAATCCCATATAGGAATATCCCTATATTT

10,710

PRKN

PRKN-206

CTCATATAAGTTAATGTATAGTTATGTCATCAATTGAATATGTATTTCTCATTGCTTTTTTTTTAAATTTTTTAATTAATTAATTT
GAGTATATTCAATTACATATCAATACAGTAGTTAACTTATACATAAAGAGTAACGAAAAAAAAATTTAAAAAATTAATTAATTAATA

10,795

PRKN

PRKN-206

ATTTTTTTGAGATGGAGTCTTGCTCTGTCGCCGAGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCGGCTCACTGCAACCTTGGCCTCCCGG
TAAAAAACTCTACCTCAGAACGAGACAGCGGCTCCGACCTCACGTACCGTACTAGAGCCGAGTGACGTTGGAACCGGAGGGCC

10,880

PRKN

PRKN-206

GTTCAAGTGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGTGCATGCCACCATGCCCTGCTAATTTTTGTATTTTT
CAAGTTCACTAAGAGGACGGAGTCGGAGGGTTCATCGACCCTGATGTCCACGTACGGTGGTACGGGACGATTAAAAACATAAAAA

10,965

PRKN

PRKN-206

AGTAGAGATGGGGTTTCGCCATGTTAACCAGGCTGGTCTCTAACTCCTGACCTCAGGTGATCCGCCACCTCAGCCTCCCAAGGT
TCATCTCTACCCCAAAGCGGTACAATTGGTCCGACCAGAGATTGAGGACTGGAGTCCACTAGGCGGGTGGAGTCGGAGGGTTCCA

11,050

PRKN

PRKN-206

GCTGGGATTACAGGCATGAGCCACTGCACCTGGCCTTTCATTGCTTTTTAAATTTATTGTGTTTTCATAATATGTAAAAATATTTCC
CGACCCTAATGTCCGTACTCGGTGACGTGGACCGGAAAGTAACGAAAATTTAAATAACACAAAAGTATTATACATTTTATAAAGG

11,135

PRKN

PRKN-206

ATTATTCCAAAGCAAAGCTACAAAACATGCTATATTCAAAGAAATACACCCTTTATCTACGTTCTCTTTCTCTCCCAAAGGTAA
TAATAAGGTTTTCGTTTTTCGATGTTTTGTACGATATAAGTTTTCTTTATGTGGGAAATAGATGCAAGAGAAAGAGAGGGTTTTCCATT

11,220

PRKN

PRKN-206

ATAATAAATAAATAAAGGTAAATAATTCCTTTTCTCTCCCAAAGGTAAACGTTTATTAAAAACAATCACCTATTTTAAAAATA
TATTATTTATTTATTTCCATTTATTATAAGGAAAAGAGAGGGTTTTCCATTTGCAAATAATTTTTTGTAGTGGAATAAAATTTTTAT

11,305

PRKN

PRKN-206

GGTAAACATACTATAGATGATATCAAAAATGGTATAGATGTGTACCTTCTTAAGTAGAAAGTAGATTATACACATTTTTCTTTA
CCATTTGTATGATATCTACTATAGTTTTTACCATATCTACACAGTGGGAAGAATTCATCTTTCATCTAATATGTGTA AAAAAGAAAT

11,390

PRKN

PRKN-206

CCTTGCTTTTTTCACTCTATAGTACCTATTATATTTTTAAAGATCACTCCCTAGTCCGATATAGATATTTTTCTTACATATAAAAAAT
GGAACGAAAAAAGTGAGATATCATGGATAATATAAAAATTTCTAGTGAGGGATCAGGCTATATCTATAAAAAGAATGTATATTTTTTA

11,475

PRKN

PRKN-206

ATATAGCATTATTGAATTCCTTTGTGTAGGTATAGCTTACTTTTTCTTACTGGCAAACACTAAGTTTTTCATTTTTTTACTGTAA
TATATCGTAATAACTTAAGGAAAACACATCCATATCGAATGAAAAAGGAATGACCGTTTGTGATTCAAAAAGTAAAAAATGACATT

11,560

PRKN

PRKN-206

ATATTGCTACAACATAAGACTTGTGTGCACCCGTATTTTCATATTGTTGTCAGAGTATTACTGGGATCTGCTCCCTAGAAGAGG
TATAACGATGTTGATTATCTGAACACACGTGGGCATAAAAAGTATAACAACAGTCTCATAATGACCCTAGACGAGGGATCTTCTCC

11,645

PRKN

PRKN-206

GGTTACTGCACCAAAGGGAAAAATGTGTATTTATTTTACTGTTTTCAAATTTCTCTCCCAGTAGTGGTGCCTTTCCATGCCCATC
CCAATGACGTGGTTTCCCTTTTACACATAAATAAATGACAAAGGTTTAAAGAGAGGGTCATCACCACGCGAAAGGTACGGGTAG

11,730

PRKN

PRKN-206

AGCAATTGCAAAGTGCAAGTATCAGGCTCTCCACTTCTCCCAACAGGGGAGCCGCAAGGCTTTTGCTTTGTTTCTAATTATATA
TCGTTAACGTTTACGTCATAGTCCGAGAGGTGAAGGAGGGGTTGTCCCTCGGGCTTCCGAAAACGAAAACAAAGATTAATATAT

11,815

PRKN

PRKN-206

TTTGAGAAATGTTATTCTATGTAGTTGGCTGTATGTTTCTTTTTAATTTTAAACAAAGTTGAGCATCTTTTCATGTGTTTAGGAT
AAACTCTTTACAATAAGATACATCAACCGACATACAAAGAAAAATTTAAATTTGTTTCAACTCGTAGAAAAGTACACAAATCCTA

11,900

PRKN

PRKN-206

CCTTTGGTGTTTCTTTTTCTCAGTCATGTTGAAAACATCACCTTTTCTTTCAGGGACAGGTTACATATATTATTTTCAAAAATAT
GGAAACCACAAAAGAAAAAGAGTCAGTACAACCTTTTGTAGTGAAAAGAAAGTCCCTGTCCAATGTATATAATAAAAAGTTTTTATA

11,985

PRKN

PRKN-206

TTTCTGTATAGCACACTGTTGACAGCCCTTGTAGATACAGAAAAGATTAGCAAAGTTGGGTCACCTTGTAAGAATGTGCGTAAA
AAAGACATATCGTGTGACAACCTGTCGGGAACATCTATGTCTTTTCTAATCGTTTCAACCCAGTGAACATTTCTTACACGCATTT

12,070

PRKN

PRKN-206

TTAACTTTAATTTGCGTGGTTCTTTGCCACGAGATAACTAACAACCTCCTTGAAAAGAATTTTGCCTGGTCAAGCTCTATGTTGT
AATTGAAATTAAGGCCACCAAGAAAACGGTGCTCTATTGATTGTTGGAGGAACCTTTTCTTAAAACGCACCAGTTCGAGATACAACA

12,155

PRKN

PRKN-206

TAAAATGCATTATATGGATTCTACTAAATATTAATTGTGTTTTAACACCTTTTACTTTTTATTTTTAAATTCAGTATGCCAAT
ATTTTACGTAATATACCTAAGATGATTTATAATTAACACAAAATTTGTGGAAAATCTGAAAATAAAAATTTAAGTCATACGGTTA

12,240

PRKN

PRKN-206

GCCATCCTCAGAATCTTATGCACTCTTGGGTTCAACTTCTTGGTTTTAATAGGGAGTGAGGCAGGGATGAATGGATGGAAAAGATG
CGGTAGGAGTCTTAGAATACGTGAGAACC CAAGTTGAAGAACC AAAATTATCCCTCACTCCGTCCCTACTTACCTACCTTTCTAC

12,325

PRKN

PRKN-206

TTGCGTTGCAAAGTTTCTTTGGAATCCTTCTACACATTTTTTGTGAATGTGGCCACCTCATCACTGGTTACTTAAATATAATACT
AACGCAACGTTTCAAAGAAACCTTAGGAAGATGTGTA AAAAACACTTACACCGGTGGAGTAGTGACCAATGAATTTATATTATGA

12,410

PRKN

PRKN-206

CATAGAAATTTGCTTTTTATTTTTTAAAATACCAGTTGCTATTGAGAACTTATATCCCTGGCACCTCTTTTCTTAATGTTTAAT
GTATCTTTAAACGAAAATAAAAAATTTTATGGTCAACGATAACTCTTGAATATAAGGGACCGTGGAGAAAAGGAATTACAAATTA

12,495

PRKN

PRKN-206

AACTACAAGTGCTAAAGTTACATATTTGTGTGTTTTGCTATTTTTAAAAAATGAACTAGTAACCAGAAGCTGAGACAGGCTAGAAA
TTGATGTTTACGATTTCAATGTATAAACACACAAAACGATAAAAATTTTTTACTTTGATCATTGGTCTTCGACTCTGTCCGATCTTT

12,580

PRKN

PRKN-206

CAACTGTA CTGCCATTCAACTGTGTAGTCAGTCTTCCACATGGCATGGTTCCGTTCCATCCCTGTTTCTTCATAGCTTCAGCCAT
GTTGACATGACGGTAAGTTGACACATCAGTCAGAAGGTGTACCGTACCAAGCCAAGGTAGGGACAAAAGAAGTATCGAAGTCGGTA

12,665

PRKN

PRKN-206

GTTTTAGTATGTATCTCCGTAAGTACTCACTCATGAGAAAATATAGTTCCGTTTGTCCACAAGATTGTTTAGCATGTGTTATTTCA
CAAAATCATA CATAGAGGCATTCATGAGTGAGTACTCTTTTATATCAAGCCAAAACAGTGTTCTAACAAATCGTACACAATAAAGT

12,750

PRKN

PRKN-206

GCCTTTTTAAAACTGTATATCCAATTACAATGTTTCCCTATATTATGCAAAGAGAACTTTT CAGATGTCATAGATTTTTATTTTG
CGGAAAAATTTTTGACATATAGGTTAATGTTACAAAAGGATATAATACGTTTTCTTTGAAAGTCTACAGTATCTAAAATAAAAC

12,835

PRKN

PRKN-206

TCAAGAACA AACTGGATTTTCTTTAATATTTGCTCAACAGAGACACTCATTTTTGTTTATTACTTTGCTTAGTTTTTAAATGTCTTG
AGTTCTTGTTTGACCTAAAAGAAATTATAAACGAGTTGTCTCTGTGAGTAAAACAAATAATGAACGAATCAAAAATTTACAGAAC

12,920

PRKN

PRKN-206

CTAAATATAATGGCTCCCTACTCTCGTTAGCTTCTGTCTCGGAGCCTATTTTATAATCACATTGATGTTTACGTATGTACCGACA
GATTTATATTACCGAGGGATGAGAGCAATCGAAGACAGAGCCTCGGATAAAAATATTAGTGTA AACTACAAGTGCATACATGGCTGT

13,005

PRKN

PRKN-206

TCGTCAGTGTTGCCGTTTTCTCATTTTTCTCATGTTTAGATTATTACTTCTATCTTTAATTAATAGTTTTCTTTGAAGGATTATTT
AGCAGTCACAACGGCAAAAAGAGTAAAAGGAGTACAAATCTAATAATGAAGATAGAAAATTAATTATCAAAGAAACTTCTTAATAAAA

13,090

PRKN

PRKN-206

TTAAGTCACCTATCTGTTTTAATAGGGTTAATTTAATTTAAAATGAGATAAGTTATTTCATTATTTCTTTTAGCCAAGCACAGATGAC
AATTCAGTGGATAGACAAAATTATCCCAATTAATTTTACTCTATTCAATAAGTAATAAGAAAATCGGTTTCGTGTCTACTG

13,175

PRKN

PRKN-206

CTTCTGCTGAAAGGTGACTGACAAGAGAGGGCTCCACTCTCCAGTGGTGGTTGTGGGACTCCCTGTTCCCTTGGGATAACCCCTT
GAAGACGACTTTCCACTGACTGTTCTCTCCCGAGGTGAGAGGTCACCACCAACACCCTGAGGGACAAGGGAAACCTATTGGGGAA

13,260

PRKN

PRKN-206

TGCAATACATGACATATGACCATCCAATATACAGGCTAGGGTATGAGATGGTACACATATCATTCTGTACATTAAGTCTTTGTGG
ACGTTATGTACTGTATACTGGTAGGTTATATGTCCGATCCATACTCTACCATGTGTATAGTAAGACATGTAATTCAGAAACACC

13,345

PRKN

PRKN-206

AGGTCAATTCTTTTCATATTTTTGCATAATACCTGTGTAAGTCCCTAATATTACCCCCATAAACCCAGTGAACCATTTTTACAAA
TCCAGTTAAGAAAAGTATAAAAAACGTATTATGGACACATTCAGGATTATAATGGGGGTATTTGGTCACTTGGTAAAAAGTGT

13,430

PRKN

PRKN-206

TCCTGGTTTATATACGGCACCTCAGAAAAGCCTAGTTCAAATGCTGGCTCTGAATCTTACTATATACATAATACAGGGCAAGGTT
AGGACCAAATATATGCCGTGGAGTCTTTTCGGATCAAGTTTACGACCGAGACTTAGAATGATATATGTATTATGTCCCGTTCCAA

13,515

PRKN

PRKN-206

CTTCACCTTAGTGTGACTTGATTTTCATCTTAGGTAAAATGGGGATAATGCATTAGCATCATTTTTATGTGGACACATTAATAAT
GAAGTGGAAATCACACTGAACTAAAGTAGAATCCATTTTACCCTATTACGTAATCGTAGTAAAATACACCTGTGTAATTTTATTA

13,600

PRKN

PRKN-206

GCCTTATGAAGTACCTTTAGGGTACATGCTGAAGACAGTAGGCACGCAATGTACACTGGCTTTTGTATTTTGGTTGTGATTTAA
CGGAATACTTCATGGAAATCCCATGTACGACTTCTGTTCATCCGTGCGTTACATGTGACCGAAAACAATAAACCAACACTAAATT

13,685

PRKN

PRKN-206

GCATGCACTCCAGTAAACATATACATATTGTGTTTTGTGTCTATGTCTGCATGTATGTGTATATTTACAGAGAAACATGCATTTGG
CGTACGTGAGGTCAATTTGTATATGTATAACACAAACACAGATACAGACGTACATACACATATAAATGTCTCTTTGTACGTAAACC

13,770

PRKN

PRKN-206

ACATTCTTTTCATTGTAGGTTGGGATTGGGATTTCCCTATAATTCATGCATAAATCAGCCAATTACCCATCTATCTGGTGATCTCT
TGTAAGAAAAGTAACATCCAACCCTAACCCTAAGGATATTAAGTTACGTATTTAGTCGGTTAATGGGTAGATAGACCACTAGAGA

13,855

PRKN

PRKN-206

CTTCTTGGTTTATTTGGCTTTGCCTTGATTTCGTGGAGCATAGAACAAGACACATAAAAATAAAATGATAACAAAATAGAAATAGAA
GAAGAACCAAATAAACCGAAACGGAACCTAAGCACCTCGTATCTTGTCTGTGTATTTTATTTTACTATTGTTTTATCTTTATCTT

13,940

PRKN

PRKN-206

AAATGGTCCTTTCCCCCAAATTCATTATTTAGTGTCTCCTTAGCCTAGGAAATCATGTAATAGAATTTGAATACAGATGTTATAA
TTTACCAGGAAAGGGGGTTTAAAGTAATAAATCACAGAGGAATCGGATCCTTTAGTACATTATCTTAAACTTATGTCTACAATATT

15,725

PRKN

PRKN-206

GACCATAATAATAATTTTTAAACCCCTGGGACTGTTAACTAGATATACATACATATATATACACATATATATGTATACATATATA
CTGGTATTATTATTAATAATTTGGGGACCCTGACAATTGATCTATATGTATGTATATATATGTGTATATATACATATGTATATAT

15,810

PRKN

PRKN-206

TACATATATACGTATACATATACATATATACACATATATACATATATACGTATACATATACATATATACACATATATACATATAT
ATGTATATATGCATATGTATATGTATATATGTGTATATATGTATATATGCATATGTATATGTATATATGTGTATATATGTATATA

15,895

PRKN

PRKN-206

ACATATATCATATATACATATACATATATACATATATACATATATACATATATATCTATATATACATATATAGATATATATGTATAT
TGTATATAGTATATATGTATATGTATATATGTATATATGTATATAGATATATATGTATATATCTATATATACATATA

15,980

PRKN

PRKN-206

AAAATATCTCTTATATATTGTGTATATATATATTATATATATATTCTCATATATATAATATATATATATGAGAATATCCGTAGAG
TTTTATAGAGAATATATAACACATATATATATAATATATATATAAGAGTATATATATTATATATATATACTCTTATAGGCATCTC

16,065

PRKN

PRKN-206

TTAGCAAACCATTTTTCAAATTACACTGGTCTCATGCACCAAACGCTTAAACAGTGTCTGTATATATTCATTTCTAGATAAATAT
AATCGTTTGGTAAAAGGTTTAAATGTGACCAGAGTACGTGGTTTGCAGAATTGTCACAGACATATATAAGTAAAGATCTATTTATA

16,150

PRKN

PRKN-206

CTAATACCTCTTGCTATCAAGATGTGTGTAATAAGATGTTCTTTTTCTGTTTTCCATCGTCTAGTTTTTTGTGTCTCTTTCAAACCTT
GATTATGGAGAACGATAGTTCTACACACATTATTCTACAAGAAAAGACAAAAGGTAGCAGATCAAAAAACACAGAGAAAGTTTGAA

16,235

PRKN

PRKN-206

CTTAAGCTAAACACCTTATACATTCTTCAAGGTATGGCCAGGCAACAATGAACCAATCTTTTTTCATTGACAAAATTATGATGGTG
GAATTCGATTTGTGGAATATGTAAGAAGTTCCATACCGGTCCGTTGTTACTTGGTTAGAAAAAGTAACTGTTTTAATACTACCAC

16,320

PRKN

PRKN-206

AATAATTAACACTGGCTTAAAATACCATCCAGGTAGAAACCCTGCTCTCCTAGTGTGAACTCATTCTTTGACCAGATATTGTGTT
TTATTAATTTTTGACCGAATTTTATGGTAGGTCCATCTTTGGGACGAGAGGATCACACTTGAGTAAGAAAAGTGGTCTATAACACAA

16,405

PRKN

PRKN-206

ATACTTTCTAAGGGTAGGATATGAAATTTTTATTTCCCTAAAATTCAAAAACGAGTAATGATTAATGAGCGCTTACTATAAATATG
TATGAAAAGATTCCCATCCTATACTTTAAAATAAAGGGATTTTAAAGTTTTTGCTCATTACTAATTACTCGCGAATGATATTTATAC

16,490

PRKN

PRKN-206

GTGCCATTCTTAGTGCTTACTCATAAACCTCCATTGAATCTCCAGAAAACCTATTAGGATGGATGTTGTTATTCTTCTCATT
CACGGTAAGAATCACGAATGAGTATTTGGAGGTAACCTAGAGGTCTTTTGGGATAATCCTACCTACAACAATAAGAAGAGTAAAA

16,575

PRKN

PRKN-206

TATAAATGA
+-----+
ATATTTACT

3'
16,584
5'

PRKN

PRKN-206

Feature		Location	Size			Type
PACRG		1 .. 16,584	16,584 bp			gene
/note	= gene ENSG00000112530 Protein coding					
PRKN		1 .. 16,584	16,584 bp			gene
/note	= gene ENSG00000185345 Protein coding					
PACRG-201		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000337019 Protein coding					
PACRG-203		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366889 Protein coding					
PRKN-201		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000338468 Nonsense mediated decay					
PRKN-202		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366892					
PRKN-203		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366894 Nonsense mediated decay					
PRKN-204		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366896					
PRKN-205		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366897					
PRKN-206		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000366898					
PRKN-207		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000479615 Nonsense mediated decay					
PRKN-212		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000673871 Nonsense mediated decay					
PRKN-213		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000674006 protein_coding_CDS_not_defined					
PRKN-221		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000674436 protein_coding_CDS_not_defined					
PRKN-223		1 .. 16,584	16,584 bp			prim_transcript
/note	= primary transcript ENST00000674501 Retained intron					
PRKN-202		7789 .. 7925	137 bp			CDS
/codon_start	= 1					
/note	= coding sequence ENSP00000355858					
/translation	= SPVLFVQCNSRHVICLDCFHLYCVTRLNDRQFVHDPQLGYSLPCV 45 amino acids = 5.2 kDa					
PRKN-204		7789 .. 7925	137 bp			CDS
/codon_start	= 1					
/note	= coding sequence ENSP00000355862					
/translation	= SPVLFVQCNSRHVICLDCFHLYCVTRLNDRQFVHDPQLGYSLPCV 45 amino acids = 5.2 kDa					
PRKN-205		7789 .. 7925	137 bp			CDS
/codon_start	= 1					
/note	= coding sequence ENSP00000355863					
/translation	= SPVLFVQCNSRHVICLDCFHLYCVTRLNDRQFVHDPQLGYSLPCV 45 amino acids = 5.2 kDa					

Feature	Location	Size			Type
✓ PRKN-206	7789 .. 7925	137 bp		→	CDS
/codon_start	= 1				
/note	= coding sequence ENSP00000355865				
/translation	= SPVLV FQCNSRHVICLDCFHLYCVTRLNDRQFVHDPQLGYSLPCV 45 amino acids = 5.2 kDa				
✓ Donor Template WT -> SNV	7839 .. 7938	100 bp		⇌	misc_feature
✓ gRNA Protospacer Sequence	7857 .. 7876	20 bp		⇌	misc_feature
✓ Silent SNV	7876 .. 7876	1 bp		⇌	misc_feature
/note	= WT = T Silent SNV = C				
✓ PAM	7877 .. 7879	3 bp		⇌	misc_feature
✓ SNV	7877 .. 7877	1 bp		⇌	misc_feature
/note	= WT = C SNV = T				

Primer	Length	Binding Sites	Tm	Date Added
✓ PCR Forward /sequence = accttacaatgcctgggtactatggg 44% GC / 7672.1 Da	25-mer	7320 .. 7344	59°C	Mar 7, 2023
✓ Sanger Sequencing Primer /sequence = tctttgcacagagcacagtc 50% GC / 6077.0 Da	20-mer	7672 .. 7691	57°C	Mar 7, 2023
✓ Donor Template Wt -> SNV /sequence = atgctagacttacCCACACAAGGCAGGGAGTAGCCAAGTTGAGGGTCGTGAACAAACTGCCAGTCATTGAGTCTTGTCACACAGTATAAG 46% GC / 981.2 Da	100-mer	7839 .. 7938	74°C	Mar 7, 2023
✓ gRNA Protospacer /sequence = GTGTGACAAGACTCAATGAT 40% GC / 6165.1 Da	20-mer	7857 .. 7876	54°C	Mar 7, 2023
✓ PCR Reverse /sequence = ccacggtaacaaatctagaacatgg 44% GC / 7668.1 Da	25-mer	8215 .. 8239	58°C	Mar 7, 2023