

**JIPCS1078\_SnappeneDNA\_INK2S00115R\_CHMP2B\_I29V\_REVWT**  
 28,286 bp

CGCAGGCGCCGCCTAGAAGTGACTTCTCCAAAAAGTGTGTTAGTTCCCGGTCACCTGAGCTCCGGGTCAGCGGGCTGCGGTAAGCTGCGGATACAAGCCTTCCGCGGGTCTCGCTGCGCACCCCGACCTCCTCT  
CGTCCGCGGCGGATCTTCACTGAAGAGGTTTTTTCACACAATCAAGGGCCAGTGGACTCGAGGCCACTGCGCCGACGCCATCGACGCCTATGTTGGAAGGCGCCAGGACGACCGCTGGGGCTGGAGGAGGA

135

CHMP2B

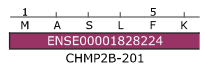
CHMP2B-201

GCTGTCTCTCCGCTCCGCCACCCGAAACCAGGCAAGGTCCTGCTCTTCTCTGCTCTTTCAGCGGTTGGGGCCGAGCCGGGCGGAGCCGGGCGCCGCGGCGCAGTCTTTAAACATGGCGTCCCTCTTCAAG  
CGACAGAGAGGCGAGGCGGTGGGGCTTGGCGGTTCCAGGACAGGAAAAAGGAGGACAGGAAACGGTCCGAACCCGGCTGCGCCGCTGCGCCCGCGGGCCCGCTCAGAAATTTGTTACCGCAGGGGAAAGTTT

270

CHMP2B

CHMP2B-201

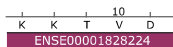


AAGAAAACCGTGGATGGTGAAGTTCAGGCGGGCTGAAGGGGCCAGCTCTGCGTTTTCTCGCGCTCTTTCAGAGCCTGCTGGCCGCGATTCTGCCTACTGTCCCTGGAGGCGGGGCTGGATCAAGTGGTCCAC  
TTCTTTTGGACCTACCACTCAAGTCCGGCCGACTTCCCGGGTTCAGACGCAAAAAGAGCCGAGAAAGCTCCGGACGACCGGCTAAGACGGATGACAGGGACCTCCGCCCCGACCTAGTTACCAAGGGTG

405

CHMP2B

CHMP2B-201



CHMP2B-201

AGGTGACCGCCTCGCGGCACCACTTCTGCTCCCTCTGCTTCTGACTCACCTCACCTTAGGCTCACCTAGGCAGTCTGGTTGCTTCCCTATCCTCACGATTCGCCACCCCTCGGGTTTTCTCAGCAGGAT  
TCCACTGGCGGAGCGCCGTGGTGAAGAGACGAGGGGAGAACGAAGACTGAGTGGAGTGAATCCGAGTGGATCCGTACAGCAACGAAGGGATAGGAGTGCTAAGGGGTGGGAGCCAAAGGAGTCTGCTTA

540

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCTGAGCGTTTTCGAGGAGGCTAGCTGGCCCTTGAAGTGTCAATAAACTTGGAAATCTGATGGATTTCTTGTGGTTTTCTCTGCTTCGATTGTTGCTCTTCAGTTGGGGGATATACTACTTGTAGGCATCCATACA  
GGACTCGCAAAGCTCCTCCGATCGACCGGAACTCACAGTTATTTGAACCTTTAGACTACCTAAAGAAACCAACAAAGGAGACGAAGCTAACCAACGAGAAGTCAACCCGCTATATGATGAACATCCGTAGGTATGT

675

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GAAACTGGCAGTCTCGAATGGGAGGGAGGGGATAACAGGCTCCAGTTAGGAAATGAAGTTGGGCTGGGTCAGTTGCTTCTTTAAGAACACCCATCAGTAAAGAGATGTGAAACAAATGCTTTTTTATTGATTA  
CCTTTGACCGTCAGAGCCTTACCCCTCCCTCCCTATTGTCGAGGTCATCTTCTTACTTCAACCCAGCCAGTCAACGAAGAAATCTTGTGGGTAGTCATTTCTCTACACTTGTGTTTACGAAAAAACTAAT

810

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACCCAGTAGAAAAATAAACCAAGGGAAGTCCAGGATTTAGTTTTCAATAATGGATTTTTCTCCCTTATGATTATTTTTGCAACCTAAAGAAAGAGATGGGGTATATATTGCTTTCATAGAAGTTTAAACATGT  
TGGGTCATCTTTTTATTGTTCCCTTACGGGTCATAATCAAAGTATTACCTAAAGAGGGAATACTAATAAAAAACGGTGAATTTCTTCTACCCATATATAACAGAAGTATCTTCAAATTTGTACA

945

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAAGATAATTGTTGTTTCCCGCATTAGCTTAATATCATCTTAAGCGGGGAAAAAGTGAATGTAAGGAAATGTACAAGTTTTATGGTGCTCATATGCGATGCCTATAATGTTTATATAACACTTGATGTT  
TTTCTATTAACACAACAAAGGGCGTAAATCGAATATAGTAGAATTCGCCCCTTTTTTCACCTACATTTCTTACATGTTCAAAATACCACGAGTATACGCTACGGATATTACAAAATATATTGTGAACACAA

1080

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTCAATTGATTGCTACCAAGAAATAAATTCATTCAAGTATTTAAAAATTTGTTCCCCATTATATGTTTGTCTAGGTTGTTGCTGGTTCAACCAAAGAACTACTTCTTTGAAGGGTCTAATTTCTGCCAAAAA  
AAGTAACTAACGATGGTCTTAATTTAAGTAAAGTCAATAAATTTTTAACACAAGGGGTAATATACAAATCAGATCCAACAACGACCAAGTTGGTTTTCTTAGTGAAGAAACATCCAGATTAAAGCGGTGTTTT

1215

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGAGCAGTGGTAGCTAGACAGTGATTGGTACAAATAGGGTGTCTAGTCCAGACCTGGACGTAACCTCTTCATTCTTTGTTGACTATTCCAATGCCAGCAAAATTTTTGGGGAGGATAACAAAAGAGTCAT  
CCTGTCACCATCGATCTGTCACTAACCATGTTTATCCACGAGTCAAGTCTGGACCTGCATTTAGGAAAGTAAAGAAACACAACCTGATAAGGTTACGGTGTGTTTTAATAAAACCCCTCTATTGTTCTTCAGTA

1350

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTCTGCTCTGCTGCTGTACACTTCAATTTCAACACATAATCTACTTTACCTCTAATTTATCAGATGACATAATACATTTTTCTTACTCTGGGTGACTGAACATTTTTTATTGACTTTTTTAAAGTACC  
GAGACGAGACGACGACATGTGAAGTAAAGTTGTTATTAGATGAAATGGAGATTAAATAGTCTACTGTTATTTGTAAGAAAGGAAAGGAGACCCACTGACTTGTAAAAAACTAAATAACTGAAAAATAATTCATGG

1485

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTTGCAATACCTGGAATAACTACCAACTTCGTATATTAGGTGATACAGTGATGTGAAATGGATTTTATGTGTGCTTTTCATGAGAATGCTGCTTAATCTTTAATATGGCACTTTATTTTTTTCAGTGTTTTAGCT  
TAAACGTTATGGACCTTATGTATGGTTGAGCATATAATCCACTATGTCACCTACACTTTACCTAAAATACACACGAAAAGTACTCTTACGACGAATTAGAAAATATACCGTGAAATAAAAAAGTCACAAAATCGA

1620

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCCACTGTTGTGAGCTTCACTTATTTTTACAGTACTCCAGGGAGTGGGGGTGGGGGAACGATTTATTTCTTTTGGCTTGAGTTTTATATAGTTACAGTTTTTTTTTGTGTGTTAGTTTTATATAGTGAGAATTTA  
CGGTGACAACACTCGAAGTGAATAAAATGTCATGAGGTCCTCACCCACCCCTTCTGCTAAATAAAAAGAAAACGAACCTCAAATATATCAATGTCAAAAAAACAACAATCAAATATATCACTCTTAAAT

1755

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTAAATGGAGAAAAATGGTTTCATCTCCTTTACTGTGATGTTACAATTAGAGTTAATTTTTTTTTTAAACAATAAAGCCAAGCATACTAGTTTTAATCGCCTAATACCTGTCAAATATTTTCAAAGACATAAATC  
GATTTACCTCTTTTTTACCAGAGTAGAGGAAATGACACTACAATGTTAATCTCAATAAAAAAAATTTGTTATTTTCGGTTCGTATGATCAAAATAGCGGATTATGGACAGTTTATAAAAGTTTCTGTATTTAG

1890

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCAGTTCGTGCTTCCTGGTGCTTTTGGAAATTTAGTGACTATTGACTTGAAGTGATAGAGGAGAGAAAAAAGACAATGGGGATGTGCAATGAGTGTTTAACTGTATACTCATTTCAGTAAATTCTTCCAAGA  
AGTCAAGACACGAAGGACCACGAAAACCTTAAATCACTGATAACATGAACCTTACATCTCCTCTCTTTTTTCTGTTACCCTACACGTTACTCACAATGACATATGAGTAACGTCAAATTAAGAGGTTCT

2025

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATAATGTTTTGCTGAATAGACTTATTTGTAAGAGTCTTAAGGACTCTTGTAGGAACTATGCCACTAAATTAACCATATGTGCAATTTCAAATGTAATTTGGCCAGCAGGTACATTTACTATAAATAC  
TTATTACAAAACGACTTATCTGAATAAACATTTTCTCAGAATTCCTGAGAAGCATCCTGTGATCGGTGATTTAATTTGGTATACACGTTAAAGGTTTACATTTAAACCGGTCGTCATGTAATGATATTTGATG

2160

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CAAGATGCATACTTGATGTTTTCTTATATTATTGTGTCATTCAGGATCATTTACTGACATCTTAATAAATAGATCTGATTTTTGTTATTTGATATAGAGCTTTACTTTTTTATTCCCTGTTTTATTGAAAGG  
GTTCTACGTATGAACACAAAAGAAATAATAACACAGTTAAGGTCAGTAAATGACTGTAGAATTTATCTAGACATAAAAGCAATAAACTATATCTCGAAATGAAAAAATAAGGGACAAAAATAACTTTCC

2295

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGTTTTTTTTGTTTTGCTAAAAGGTGACAGCATTCTTCTTGGTAATGAGGCTGTATATTGAAATGAAAGTTAATGATTTTTATGTCTCTCAGATCGTTGGATTGATCATGAGCTCTTTTATTGTATGC  
TTCAAAAAAACAACAGATTTTCCACTGTCGTAAGAAGAACCTTACTCCGACATATAAATCTTACTTCAAAATACATAAAAAACAGAGAGTCTAGCAACCTAACCTAGTACTCGAGAAAAATAACATACG

2430

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGACTTTAAATCTGTTCCAGCAGTAATGAAATCTGATATATAAGGGAAACATGTACCTGCCTATAGATCTGGGGAATAATTGAATCTTTTTCTCTGTTTGGATTGGCTGGAAGAGTTATATACTGTATCATT  
ACTGAAAATTTAGACAAGGTCGTCATTACTTTAAGACTATATATCCCTTTGTACATGGACGGATCTAGACCCCTTATTAACCTAGAAAAAAGGACAAACCTAACCGACCTTCTCAATATATGACATAGTAAT

2565

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGACTACTGCACATGTAATTTAAAAGGAAGACAACATTACAGCACTTATTACTATTCAGAGTTATGTTAAATTCATTTTGACACAAGATGAACAAGTCTCTGCGGTGTATACTTTGCTGTAGAAATTAATGA  
TTCTGATGACGTGTACATTTAAATTTTCTTCTGTTGTAATGTCGTGAATAATGATAAGTCTCAATACAATTAAGTAAACTGTGTTTCTACTTGTTCAGAGACGCCACATATGAAACGACATCTTAAATACT

2700

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GAGGTATACCTCAAGAGAAGGGAAGGATTCTTTGGAAATTTGAAATTTACAGTTGAGTACTACTGGTTTTCTTTTACCTGTGTAAGGATATACATATATATAGTGTGTTATGTTTACCTACAGTGTATTTTCC  
CTCCATATGGAGTTCTTCCCTTCCCTAAGAAACCTTAAACTTTAATGTCAACTCATGATGAACCAAAAAGAAAATGGACACATTTCTATATGTATATATATCACACAATACAAATGGATGTCACAAAATAAAAGG

2835

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

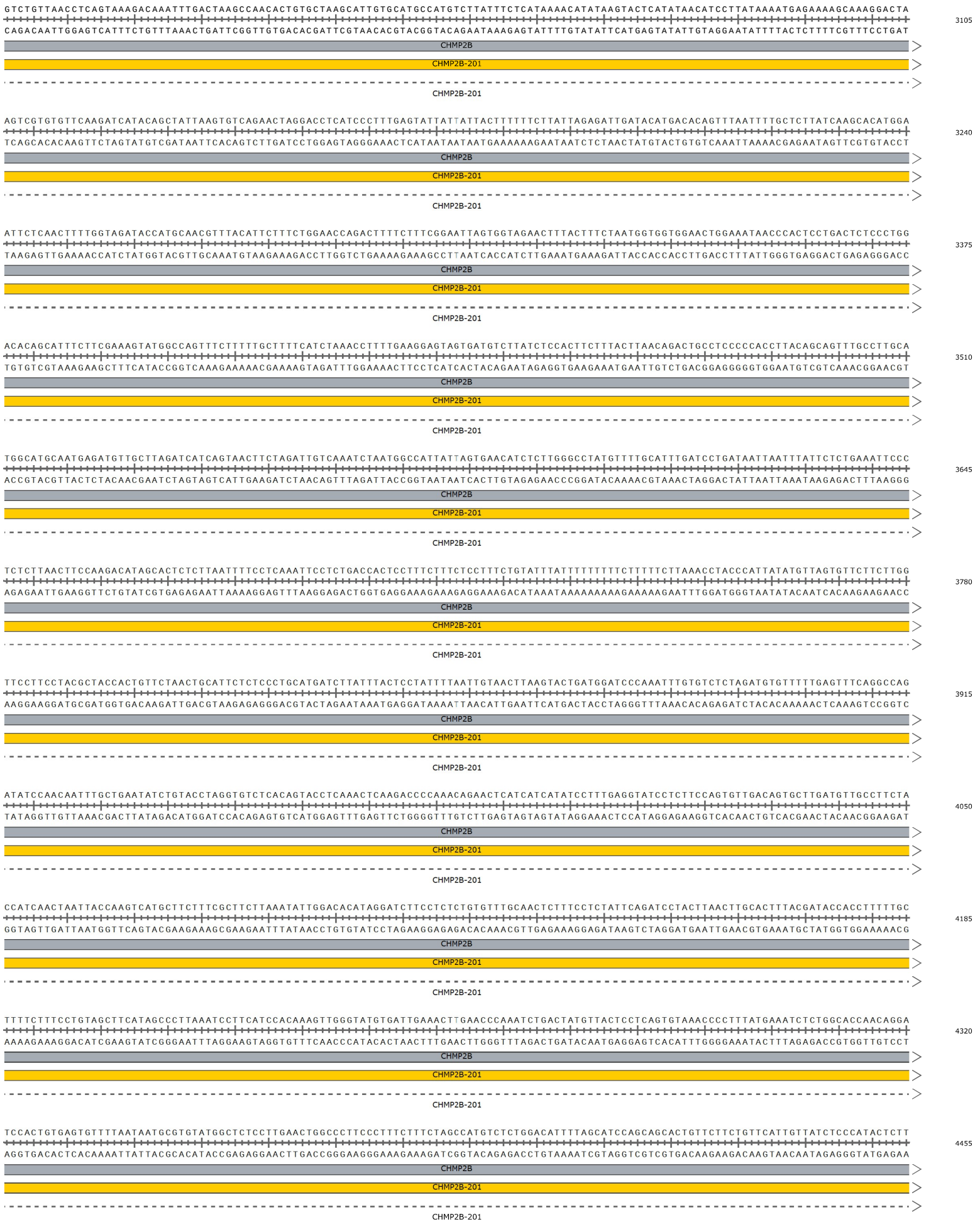
CCCTTTGTAGATTAATAGTGACCTATTTAGGGAAGCTAATTTGAACCTGTAATCAGGATCCACTAGGACTTGTCAAAATGCACAACATAAATGCTTAAAAGTGAAGTCTTTAAACACTATATAATTTTT  
GGGAAACATCTAATATCACTGGATAAATCCCTTCGATTAATACTTGGACATTTAGTCTTAGGGTGATCCTGAACAGTGTTCAGTGTGATTTGTACGAAATTTCACTTCAAGAAATTTGTGATATATTAATAA

2970

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201



TCTCACCCCTGACATATTTTGGCTTTTGATGCCCTTATGCCCTAGAATTCCCTTTTTATCCTTCCCTAGCTAAGCTGAACCTATCCTAGGTTTATTTCTTCTCAAAGTCTCTATGAAGTACTCCTTATGTTCCCTTT  
AGAGTGGGACTGTATAAAAACGAAACTACGGGAATACGGATCTTAAGGGAAAAATAGAAGGAGATCGATTCCGACTTGATAGGATCCAAATAAAGAAGAGTTTCAGAGATACTTCATGAGGAATACAAGGGAAA

4590

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTGGCATTCTTTCTGACTTGGATTCACTAGAACCATAGTAGACCTCCTGCACCTTCAAAGTTGGATAATGCTTATTCTGTCTCTTCTACATTCCATATTTGTAAGGGGCTTCAGAGTCTTCAGCAGAAATGA  
ACACCGTAAAGAAAGACTGAACCTAAGTGATCTTGGTATCATCTGGGAGGACGTGAAAGTTTCAACCTATTACGAATAAGACAGAGAAGATGTAAGGTATAAACATTCCCGGAAGTCTCAGAAGTCGTCTTTACT

4725

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAATATATCTGCAAGAGTTTCTAATTTAGAGATTAATATCTAAAATAATATCATTACTAACCAAAGTAGTATTCGAATATCCAGGGCTTAGAAGAGTCTGGATCCACACTTTGCCACCACCTGTGAACCTTTAG  
TTTATATAGACGTTCTCAAAGATTAAATCTCTAATTTATAGATTTATTATAGTAAATGATTGGTTTCATCATAAGGTTATAGGTCCCGAATCTTCTCAGACCTAGGTGTGAAACGGTGGTGACACTTGAATC

4860

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGCAAGTTAGAGGTAATTTGAAGAACACTACAGAGAGAAGAGGAACAAAGCTTCTGGCTTTTGGCTCATTGGGATGATATTTGTATATGCTAGTTGTCTAGAGTTCAAAAACCTGTGAGGTTTTGACTAAGTTGG  
ACGTTCAATCTCCATTAACCTTCTTGTGATGTCTCTCTCTCTCTGTTTCGAAGAACCAGAAACGGAGTAAACCTACTATAAACATATACGATCAACAGATCTCAAGTTTTGACACTCCAAAACCTGATTCAACC

4995

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GATAAATCCCTTTCAATGTATTAGTTGTGATGCCACATTTCTGATGTTAAAAGGAAATAAACGGAAATACCCTTCAGAAACATTTTTCTGTATTCCAGAATAAAATACACTATTCTCATGGTGGTACCTGCA  
CTATTTAGGGGAAAGTTACATAAATCAACACTACGGTGTAAAGACTACAATTTTCTTTATTTGGCTTATGGGAAGTCTTGTAAAAAAGACATAAGGTCTTATTTATGTGATAAAGAGTACCACCATGGACGTC

5130

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTCAGATCTTCCAGGATGCTATGTGTTCCCTTATGCTCCTTATCTGGATATTTAAAAAACAATTTTACTTTCTACTTAAACCCCTACATCTTGGACATACCAAAGAAAAATAATTGAACATGGGATT  
TTAAGTCTAGAAAGGTCCTACGATACACAAGGAAATCACGAGGAATAAGACCTATAAATTTTTGAGTTTAAAAAGAAAGATGAATTTGGGATGTAAGAACTGTATGGTTTTCTTTTATTAACCTGTACCCTAA

5265

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GAGGAACACAGTATACTCTTCTGAGCATTCTTCTAGAAAAACATCTCCCTACTTTTGAATAGATATTTCTGTAGGAAAAATGTGTTCCCTCTGTATTTCTGCATCCCCAGCATGACAACAAAAGACAGACATTT  
CTCCTTGTGTCATATGAGAAGACTCGTAAAAGAACTTTTTGTAAGAGGGATGAAAACTTATCTATAAAGACATCCTTTTACACAAGGGAGACATAAAGACGTAGGGGTCGTACTGTTGTTCTGTCTGTA

5400

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCTTTCTGGCTACCATTTCTATCTTCAAGTCCATTGGCCTGTGAGGCTTTTCTTCCAGGACACATTTGCCTCTCATTCTCTCATTTATCTAAGATGAAAAATGTGCTTTGACAGTTTTCTGAACTGCAGTTTTAT  
GGAAAGACCAGTGGTAAAGGATAGAAGTCCAGGTAACCGGACACTCCGAAAAAGAAGTCTGTGTAAAGGAGAGTAAAGAGTAAATAGATTCTACTTTTTACACGAAACTGTCAAAGACTTGACGTCAAAATA

5535

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGATGATGTTACTAAAGCCTTTGCCGTTGAGGACCAAAACAAGACTCAAAGTCTACTGACATGTGCCCATCTCAAACCATCTTTTAGCTCTTGAAAACAGTGGCATTTTATGTTTATAAATGGTTCACATG  
ACTACTACAATGATTTCCGAAACGGCAACTCCTGGTTGTTCTGAGTTTTAGATGACTGTACACGGTAGAGTTTTGGTAGAAAATCGAGAAGTTTTGGTCACCGTAAAAATACAAATTTTACCAAGGTGAC

5670

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTCCTCAGGGCTTGAGTGACTTTTGAAGTACTAGTAGGAGAAAAAATATTTTTGCTACCAGATATGCTACTGTAGGGCTTGGCTTACTCCCAATTTCTCTCAGTATTTTGCCTCTTCAAGTCTCG  
TTAAGGAGTCCCAGACTCACTGAAAACCTCTCAATGATCATCTCTTTTTTAAATAAAACGATGGCGTATACGATGACATCCGAAACCGAAGTGAAGGGTTAAAGAGAAGTCAAAAACGGAGAAAGTTCAGGAC

5805

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTGTTTTTCAGTTTTAAACCTGGTCTTAAAGTGTGCTCTCTGACGATGTCTAGGTAGAATAAAGCTGTTGGCATGATCCCCTTTGTTCTTTTTGTTTTCTATAGTTGCCTTTTGTTTTCTTTTACCCTG  
GACAAAAGTCAAATTTGGACCAAGAATTCAATCAACCGAGAGAAGTCTACAGATCCATCTTATTTGACAACCGTACTAGGGGAAAAACAAGAAAAACAAAAGATATCAACGAAAAACAAAAGAAAAATGGCAC

5940

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TATTAGAAGCTGATTAGTTAAGCTGATAAATTTTGTCCCTGAGTGTCAGATATACCATTCCCAAACCTGAGAAGCAAATTTGGTTTGCATATCAAATTTCTAATTTACTTTGTACCCCACTCTCACTGTCATTTTCCT  
ATAATCTTGAATAATCAATTCGACTATTATAAACAGGGACTCACAGTCTATATGGTAAGGTTTTGGACTCTTCGTTTAAACCAAACGTATAGTTAAGATTAAATGAAACATGGGTGAGAGTGACAGTAAAGGA

6075

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTGCATTTGAGTAAATCTTGTTCCTAGAACCGGAACCTTCTGGATAGTGACCTTTAATATTTCTTTTTAATGCCTTAGCTTTTGGTTTGTGCATATTTTTCAGTTTTTTTTTCTCTTCATCAAGTCAAGATGA  
AGACGTAACCTCATTAGAACAAAGGATCTTGGCCTTAAAAGACCTATCACTGGAATTTATAAGAAAAAATACGGAATCGAAAACTCAACAGTATAAAAAAGTCAAAAAAAGAGAAAGTAGTTCAGTTCTACT

6210

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AACATCCTTACGTAGCCAGGACTTCTTTTCACTTTACTGTTTCATTGGCAAGCTCCATCATGCCTAGTTAGCTGAATTGACGCTCACTCTGGGCTTTTTCTTATATCCATAGCACAATCAGGATTTGTCCAGTGTG  
TTGTAGGAATGCATCGGTCTGAAGAAAAGTGAATGACAAGTAACCGTTGAGGTAGTACGGATCAATCGACTTAACGCGAGTGAGACCCGAAAAGAATATAGGTATCGTGTAGTCTTAAACAGGTACAGAC

6345

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTACCAGTGTACAGTGCCTACTATTCCCACTGACACTAGCTGTTACAGAGCTTGCAGGTAAGTCTAAAAGTAAAGTACCTCTTCCCTGGAGATCTTGATACCTTAAAAACAGTAAATGGAGATTATAAAGTA  
AATGGTACAGTGTACGGGTGATAAGGGTACTGTGATCGACAAATGCTCGAACCTCATTTCAGATTTTCATCTTCGATGGAGAAGGGACCTCTAGAATATGGAATTTTGGTCAATTACCTCTAATATTTTCAT

6480

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGATGTGGGAACATTTTGTCTATCTCAATGATATGATGATTAGGTTTAGAGTAACTGATAGGCAATAAAATCAATAGATAAAAAATGATTTTCTCAAAGAAATACATTTAATAGTAGGAAATTTGGCTTAT  
CCTACACCTTGTAAAACAAAGATAGAGTTAACTATACTACTAATCCAATCTCATGACTATCCGTTATTTTAGTTATCTATTTTACATAAAAAGAGTTTTCTTTATGTAATTTATCATCCTTTAAACCGAATA

6615

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGATTA AAAAGTCTGTTATGACCTTATAGTGA AAAACACAGCATACAGTATAGTGGCTACTTCTCTAGTAGATCAGCTTGAATCCTGCTGACCGATGGTGATTTCGACTACTGTCCAGCATTCTTGAGGCATTC  
ATCTAATTTTTCAGACAATACTGGAATATCACTTTTTGTGTCGTATGTCATATCACCGATGAAGAGATCATCTAGTCGAACTTAGGACGACTGGCTACCCTAAACGTATGACAGGGTCGTAAGAACTCCGTAAG

6750

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATCCTGAAGTGCCTTGCAAACTTGAGATAGCTCCCCACCTTCCCCAAAAGAAAGGCACCTTAAATAGTATTACTCACAAATTAATGAATGTCCATATTTATACTTGATAATTACTTTTTGCTTTTATCCTCAA  
TAGGACTTGACGGAACTTTGAACCTATCGAGGGGTGAAAGGGGTTTTCTTTCCGTGAAATTTATCATAATGAGTGTAAATTACTTACAGGTATAAATATGAACCTAATGAAAAACGAAAAATAGGAGTTT

6885

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTACAAATATATCTGAACTAATGGTAGGGAGGACAGGCATGATTCAGTTGGGGCTTGGCCCTCAAACCCCAAGTAGAGAATCTGGTGAGCTAGACTGGACCACATGGGAGACCTTTTTTGTGTTTTTAT  
ACATGTTAATATAGACTTGATTACCATCCCTCTGTCGTAAGTTCAACCCCAACCGAGTTTTGGGGTTCATCTTTAAGACCACTCGATCTGACCTGGTGTACCCTCTGGAAAAACAAAAAATA

7020

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTTTATTTTTGACTTTTTATTTTTGTAAGCAGATAAACCATATTGACTCAGAACCAAAAAGGCAGAAACACCTTGTGTCTCTTAAGTCCAAGACTTAAGTCTATGATCTCATCACTCTACTGTAGACCTGT  
AAAAATAAAAACTGAAAAATAAAAAACATTCGTCTATTTGGTATAACTGAGTCTTGGTTTTTCCGTCTTTGGTGAACACAGAGAATTCAGGTTCTGAATTCAGATACTAGAGTAGTGAGATGACATCTGGACA

7155

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GTATTTCCCTTCAGTAAGAAGAACCCTGAAAGACTTGAGATAGGCTTTAATGCCAGAGTGGAGCCGGCTGGGTGGCCTTTTCTTAAGTGTGTGCTGGGCATGGGTGAAAAGAGGGTGGTGGATGAATCAAGCT  
CATAAAGGAAGTCACTTCTTGGACTTTCTGAACTCTATCCGAAAATACGGGTCTCACCTCGGCCGACCCACCGGAAAAGAAATCACAACACGACCCGTAACCCACTTTCTCCACCACCTACTTAGTTCGA

7290

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCCAGACCCTTTTATCTCACTGAATGGTAAGAGAGAGAATAACCATATCATATCCATGTACCTTTGGCATTTTACAGTGTGAAGTTTTCTATTACCACCTATTATGATGCTTTGAAACAACCCACAAGTA  
AGGTCTGGGAAAAATAGAGTGACTTACCATTCTCTCTTTATATGGTATAGTATAGGTACATGGAAACCGTAAAAATGTCACACTTCAAAGATAAATGGTGGATAATACTACAGAAACTTTGTTGGTGTCCAT

7425

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GATGAAGTCC TAGAGAATGAAAAAT TGAGTGTATACCTTTATCTGCCTGAAGAAAGAAAGCAGAGGATAGACAGGGAGTCAAGCACTCCATCTCTTAGGTGGCAGCAGTACCTGTACATGTTTCTGTATGATC  
CTACTTCAGGATCTCTTACTTTTAACTCACATATGGAAATAGACGGACTTCTTTCTTCGTCTCTTATCTGTCTCCTATCTGTCTCAGTTCGTGAGGTAGAGAAATCCACCCTGCTCATGGGACATGTACAAAGACAGTACTAG

7560

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTGCCTCACATTGAAAAATCGGGGAAGTAGAAAGTTATAAGGAAAACAGCCAATTATTTCAATGTTTCACATTTCCATTGTAGAAAGCTACCTATCATGTTTCATATTTACTATTGTTAAATTTATCTTTTTGA  
AACGGAGTGAACTTTTAGCCCTTCATCTTTCAATATTCCTTTTGTGCGTTAATAAAGTTACAAAGTGTAAAGGTAACATCTTTCGATGGATAGTACAAAGTATAAAATGATAACAATTTAATAGAAAAAAT

7695

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CAACTGATTTTGTTTTACATTTTAAAGACGTGTTAAATATGCCTGTAAGAGGAATCCTTTACATTTCAATGTATATGTTTGTACTCCCATAGATCGCTAGTAAAGTATGATATATTGGTATGCTATTTGCATGAA  
GTTGACTAAAAAAAATGTAATTTCTGCACAATTTATACGGACATTCCTTAGGAAAGTGTAAAGTTACATATACAAACATGAGGGTATCTAGCGATCATTACTACTATATAACCATACGATAAACGTAAT

7830

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GAAAGGTGGGACTACAAACAAGCAAAATAAATAATATATGATTCCCTTCTCTTAAAGAGATGTAATCTTGGGATGGAATCATACCTACTAAGAAAATAAATCTAGTGGATAATAAATTTGGCTGTAAAAACAT  
CTTCCACCCTGATGTTTGTTCGTTTATTTATTTATATACATAAGGGAAGAGAATTTCTCTAACATTAGAACCTACCTTAGTATGGATGATCTTTATTTAGATCACCTATTATTTAAACCAGACATTTTGTAA

7965

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAAATTGCCTCAGACCGTTCTCATATTATCCCTTCTGTATTATCTAGAAGACCAAAATATTAATGTTGATTTAATATAGAGATTGTTTTAAAAGAGAAGAGTAAATGTTAGTTTTATAGTATATTTCTATTG  
TTTTAACGGAGTCTGGCAAGAGTATAATAAGGAAGACATAAATAGATCTTCTGGTTTAAATAATTTACACCTAAATATATCTCTAACAAAATTTTTCTCTTCTCATTATACAATCAAAATATCATATAAAGATAAC

8100

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTCGTATGAAAATATGTTTTACTGTCTTTTCTACTTACCATAATATGTTTTAAGGTGTTGTGATTATGTTTTAGTATGTAACATTAGCCGCTCTGAGTTTATAGCTTAGAACTGTTTAAATATTAATAGGCC  
AGAGCATACTTTTATACAAAATGACAGAAAAGGATGAATGGTATTATACAAAATTCACAACTAAATACAAAATCATACATTGTAATCGGCGAGACTCAAATATCGAATCTTGACAAAATTTATAATTATCCGGG

8235

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTAACAACATGAGGCTGTGGAATATGCAGTAGTTAATTTCTTTATTTTCTTTTATGATATACAGTGACTGTTATGATACATATAGTTACATTATATTGAGAAAAATTAACATTTTAAATTAATTAAT  
TAATGTTGATACTCCGACACCTTATACGTCATCAATTAAGAAAATAAAGGAAAATACTATATGCTACTGACAATACTATGATATCAATGTAATAAATCTTTTAAATTTGATAAAAATTAATTTAATGTA

8370

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GTTTTGTGAATCTCATGTAATAACTTGTTTTTTCAGTAAAGATGGCTATATCTAGCCTTGACTCTGATTCTCAGACACCTATTGGGTGTTTCAGCAATTCAGTTCACCTCTGACGGTAATTATCTAGAGTTAG  
CAAAACAACCTAAGAGTACATTATTTATGAACAAAAGTCATTTCTACCGATATAGATCGGAACAGACTAGACTAAGAGTCTGTGGATAACCCACAAGTCGTTAAGTCAAGTGAAGACTGCCATTAATAGATCTCAATC

8505

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGCAGACCCTATAGGTGAAAGACAGTCCACAAGACTGCCCTACTTCAGATGCCACTTGAAAGACGCAGATTGTGCTTCTGGTGAAGTACTTCTGACTGACCAGGGTTTTCTACAACCTCATCTCAACTTTGAT  
CCGTCTGGGATATCCACTTCTGTGAGGGTGTCTGACGGGATGAAGTCTACGGTGAACCTTCTCGCTTAACACGAAGACCCTCATGAAGACTGACTGGTCCAAAAGGATGTTGAAGTAGAAGTTGAAACTA

8640

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTCACTAGGACAACTCTCAGAACTCATCAGAGTGTCTTATTTACTGTTACTGGTTTTATTTAAAGTATACAATTAGTAATAGCCAAATGGAAGTGAATCCATAGGTCAAGGGTCAAGGTGGAAGACAGAGCTC  
TTAAGTGATCCTGTTGAGAGTCTTGAAGTGTCTCAGGAAATAAATGACAATGACCAATAAATTTTCATATGTTAATCATATCGGTTTACCTTCACTAGGTATCCAGTCCCAAGCTTCCACCTCTCTGTCTCGAG

8775

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCATGCCCTCTCTGTGTGCCATCTTCTAGCATATCAGTGTGTTACCAATGAGAGGTTCTCTGAATCTCTTAGTAAAGTTTTTTTATAACCTAATCTCAAGCACCACCTCTCTGACATATGGGGGTGG  
GGTACGGGAGAGACACACGGTGAAGGATCGTATAGTACACAAAGTGGTTAACTCTCAAGAGACTTAGAGAAATCCATCCAAAAAATAATTTGATTAGAGTTCGTGGGTGGAGAGGACTGTATACCCCAAC

8910

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGTTAAAAGTTCCACCCCTTTAGTCAAGTGTGGTCTTTCTGGTGACTAACCTCATCCTGAGGCTATCAGCTACCCCTCCACACCTACCCCATATACCTCAGATATGGTACAAGAAGCTTGTGGTGAATAACAA  
TCAATTTCAAGGGTGGGAAATCAGTTCAAAACCGAAAGACCACTGATTGGAGTAGGACTCCGATAGTCGATGGGAGGGTGTGGATGGGGTATATGAGTCTATACCATGTTTCTCGAACACACCTTATTGTT

9045

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGACATTCCTATCATTACAGAAATCCAAGGGTTTTAGGCCCTCTGTGCCAGGCACCCAGGATGAAGACCACTTTATATTTTTAATATCACCCCTCGTAATGAAAAAAAATGTATGTAGATAGAATTTAGAT  
TTCTGTAAGGATAGTAAGTCTTTAAGGTTCCCAAAATCCGGGAGACACGGTCCGGTCTCTACTTCTGGTGAATAATAAAAAATATAGTGGGAGCATTACTTTTTTTTTACATACATCTATCTTAAATCTA

9180

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTTAACTTTCAGCAGTTGCTGTGCACCTGTGTCAATTTATCTGGCCACAGTTTAACTTCTGAGTATAGTGGCTTGTCTTTCTGAGCAGTATTGTTGTAGCTTGTATAAGACCATCATCACCCAGCATGGTGGC  
GAATTGAAAGTCGTCAACGACACGTGGACACAGTTAATAGACCGGTGTCAAATGAAGACTCATATACCGAACAGAAAGACTCGTCATAAACATCGAACATATTCTGGTAGTAGTGGTGGCTCGTACCACCG

9315

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCACACCTGTAATCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGTTGGATCACCTGAGGTCAGAAAGTTCGAGATCAGCCTGGCCAAACATGGTAAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACCTAAAAATACAAAAATTAGCCAG  
AGTGTGGACATTAGGGTCGTGAAACCCCTCCGGCTCCGCCAACCTAGTGGACTCCAGTCTTCAAAGCTCTAGTCGGACCGGTTGTACCACTTGGGGCAGAGATGATTTTTATGGATTTTTATGTTTTAATCGGTC

9450

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCATGGTGGCGCATGCCTGTAATCTCAGCTACTTGGGAAAGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTGGGAGGCGAACCGAGATCATGCTGTTGACTCCAGTCTGGGTGACAAGAGCAAACTCCATCTCAAAC  
CGTACCACCGCGTACGGACATTAGAGTTCGATGAACCCCTCGACTCCGTCTCTTAGCGAACTTGGACCCCTCCGCTTGGCTCTAGTACGACAAACATGAGGTCAGACCCACTGTTCTCGTTTTGAGGTAGAGTTTTG

9585

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAAAAACAACAAACATCACTATCTGATACTGTCAATTCATCTTATACTAGTTGAGTTTGGGAGTCCCTTAGTCTTAGTACACAAAGGGGTTGACTCCAGAAGTTCATTTATTATTTAAGTTAAAAATTAGA  
TTTTGTTTTGTTTTGTTAGTGATAGACTATGACAGTTAAGTAGAATATGATCAACTCAAATCCCTCAGGAAATCAGGAATCATGTGTTTCCCAACATGAGGTCTTCAAGTAAATAATAAAATTTCAAATTTTTAATCT

9720

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCACATTTCTATGGAACAGTGGGGTAAGTGGTAAATGTTTTTATATCAGTCCATTGGCTTTGACAAAATAGGGAAGTAAGTCCAAAAGAGGATCGAGTGTGTTGGGTGTTGGCGGATGAAGAGGTTTCATGA  
CGTGTAAAAGATACCTTTGTCAACCCATTACCATTACAAAAAATATAGTCAGGTAACCGAAACTGTTTATCCCTTCATTCAGGTTTTCTCTAGCTCACACAACCCCAACACCGCCTACTTCTCCAAGTACT

9855

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTCTTTGAAAGACAGGGAATGAGAGCATTGTTGTTATTTGGGGTACGCCATAGATGTCTGAGGAAAGATGTGATTATGGGCTGAATTTGCCCCCTGCCTCCCAAAATTCATATGACAAAAGCTCTGACCAC  
AAGGAACTTTCTGTCCCTTACTCTCGTAAAAACAATAAACCCAGTCGGATATCTACAGACTCCTTTCTACACATAATACCCGACTTAACAGGGGGGACGGAGGGTGTAAAGTATACTGTTTCGAGACTGGTG

9990

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCATGTGACTGTATTTGGGGATAGGGCCCTTAAGTATGTAATCGAGGTTAAATAAAGTCAGATGGGGCCCTGATTCAATGACTGCTATCCTTAGAAGAAGAGAAAGATCCACAAGGAAAAGGCCATCTGAGAACA  
AGTACACTGACATAAACCCCTATCCGGGAATTACATACATTAGCTCCAATTTATTTCACTACCCCGGACTAAGTACTGACGATAGGAATCTTCTTCTCTTTCTAGGTGTTCTTTCCGGTAGACTCTTG

10,125

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CAGCAAGAAGGTGGCCATCTGCAAGGCCAAGGAGAGAGGCCCTCAGGAAAAATTAACCTGCTGGCACCTTGACTCCTTTACGCCATCTGAACTATGAGAAAAACGTTTTTCATTGTTTAAAGCCATCTACTTTGGCA  
GTCGTTCTTCCACCGGTAGACGTTTCGGTCTCTCTCCGGAGTCCCTTTAATTTGGACAGCCGTGGAACTGAGGAAAGTGGTGAAGTCTTTTATGCAAAAAGTAAACAAATTCGGTAGATGAAACGCT

10,260

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TATTTCACTTGTGGCAGCCCTGGCAAACATAACAGCATGTTCCAATCCATGCTCTAGGGGACACTAGTATCTAGGAAATATTAATAGATATTTCTTAAAACAGTCTTCTAATACGTTTGGTCAATAATCTATGAT  
ATAAAGTAACACCGTCGGGACCGTTTGATTATGTCGTACAAGGTTAGGTACGAGATCCCTGTGATCATAGATCCTTTATAATATCTATAAAGAATTTTGTCAAGAATATGCAAACAGTTATTAGATACTA

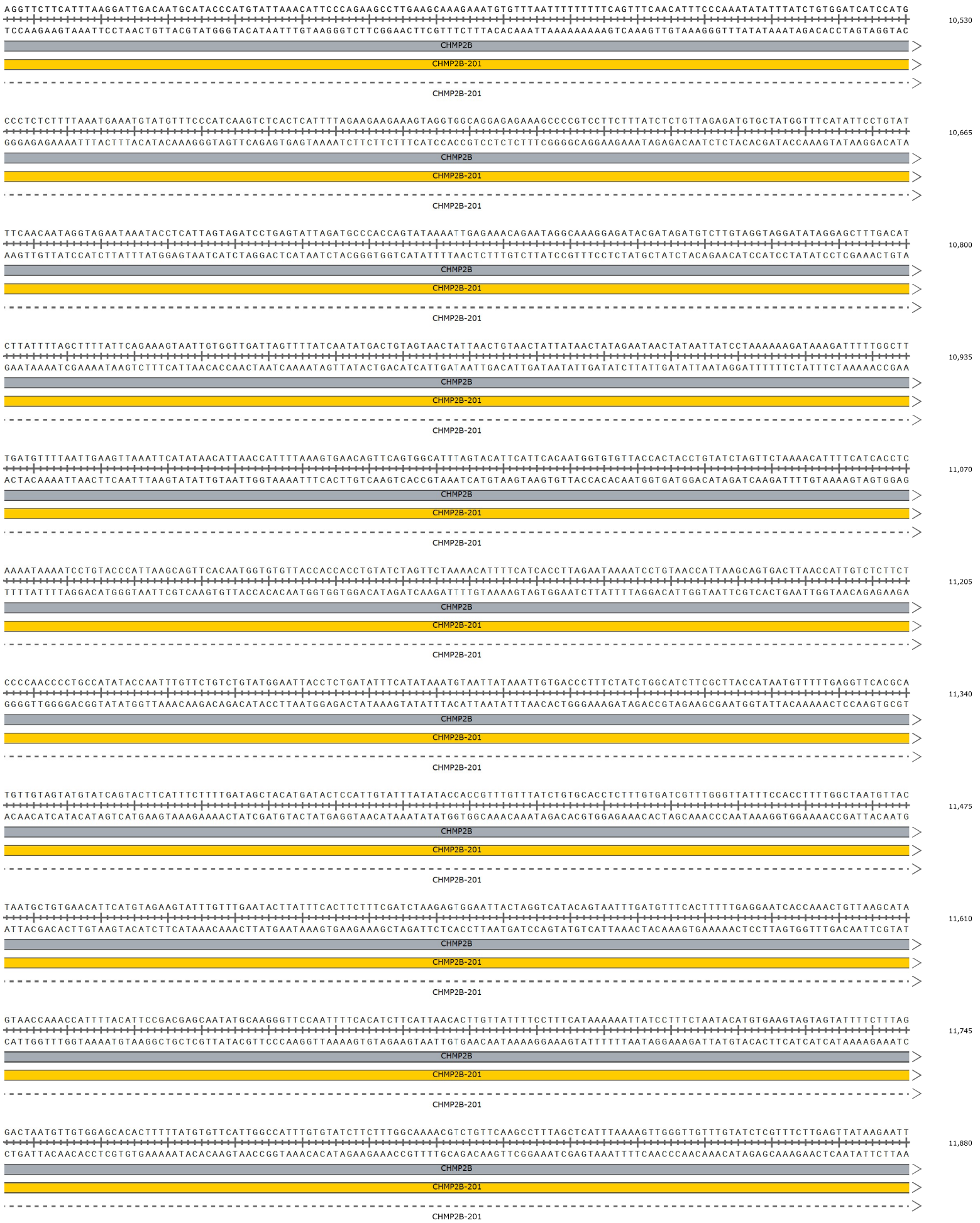
10,395

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201





TTTATATATTCTGCATACCAAACCTTTATCAGATATATTGTTTGCAATATTTTCTCTTATTTCTATAGGTTGCTTTTTACCTAATAAGTCTTTAAATGCATAAAATTTTAAATTTTACCAAGTCCAATTTA  
AAAAATATAAGACGTATGGTTGAGAAATAGTCTATATAACAAACGTATATAAAAGAGAATAAGATATCCAACAGAAAAGTGGATTATTAACAAGAAATTACGTATTTTAAAAATTTAAAGTGGTTCAGGTAAAT

12,015

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTTTTTTCTTTTGTCTTTATGCTTTTAAATGTCATATTTAAGAATGTAATGCCAAATCCCAGGTCATAAAGATTTACTTCTATGTGTTCTAAGGTTTAGCTCTTACATTTAGGTTATTGGTCTTTTTGAGT  
AGAAAAAAGAAAAACAAGAAATACGAAATTTACAGTATAAAATCTTACATTACGGTTTAGGGTCCAGTATTTCTAAATGAAGATACACAAGATTCCAAATCGAGAATGTAATCCAATAACCGAAAAAAGCTCA

12,150

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAATGTTTGATACAGTGTGACGTAAGGTCACACTTTATCTTTTTTCATGTGGATGTCAGATTTCCAGTACTATTTGATGAAGAGACTGTTCTTTCTCCTGTTGTTGTTGTTTTAAATCTCTTTATAAAA  
ATTACAACATATGTCACACTGCATTCCAGGTTGAAATAGAAAAAGTACACCTACAGGTCATAAGGGTCATGATAAATCTTCTGACAAGAAAGAGGACAACAACAACAAAAATTTAGAGAATAATTTT

12,285

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGTTAGCCTAGTAAAGTAGTTAAGATCACTGGTTCAAGAGACAGAATGGTTGGATCCAACCAATCTGGTGTTACTACTTGTCTATGTGGCTTTGGGCAAGTCACTTAGCCTTCACATTGAGTTTTCTT  
TCAATCGGATCATTTCACTAAATCTAGTGACCAAGTTCTCTGTCTTACCAACCTAGGTTGGTTAGACCACAATGATGAACGATAGATACACCGAAACCCTTCAGTGAATCGGAAGGATTGTAACCTCAAAAGAA

12,420

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTAATAAACTTTAATCTTCAAAGGTTAGGTCATAAAGATCCAATGAATTCAGATAAATAGAAAAGTACTATAAATGAGAGGACTTGCAGTTATCAGAGCATTTGTATGTTATTTACTCCTTACTAT  
TTAATTTTTTATGAAATTAAGAAGTTTTCCATCCAGATTTCTTAGGTTTACTTAAGTCTATTAACTTCTTATGATATTAATCTCCTATGAACGTCATAGTCTCGTAAACATACAATAAATGAGGAATGATA

12,555

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCTTTTTTATGAAAAAGAAAGCTGAGGTTTCGAGTATTAATAACTCTTCCAAGGTATAATCATGATGATCAAGTGGCTGAGGTGAGATCCAATCCAGATCTGCCTCATTGGAAAGTCTGGTGTTCAGTCTGT  
GGAAAAAATACTTTTTCTTTGACTCCAAGGCTCATAATTGATTGAGAAGGTTCCATATTAGTACTACTAGTTCAACGACTCCACTCTAAGTTTAGGCTAGACGGAGTAACCTTTCCAGACCACAAAGTCAGACA

12,690

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAATATTTACTGCAGAAAACCAACAGATTTAATAAACATATAACCTGTCTTCTTCTGAAATTCATATAGTATTAGAGTAAGGAAACATGAAAAGGGTGTGTGTGTGTGTGACATATATATGCTATATT  
ATTATAAATGACGTCTTTTGGTTGTCTAAATTTATGATATTGGACAGAAGGAAAGGACTTAAAGTATATACATAATCTCATTCTTGTACTTTTCCCACACACACACACACTGTATATATACAGATATAA

12,825

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAACACTATACTAATCAGTTCTGTAGGGGAATTTTTATTGTGATGTAATACTTTTGGTTAAATCTCAGACTGTAGCATATTTGCATTCACCTGCTATCAATCTTTATTTTTTAAATATTATAAATTCAGGT  
TTTGTGATATGATTAGTCAAGACATCCCCTTATAAAATAACACTACATTTAGAAACCAATTTAGAGTCTGACATCGTATAAACGTAAGTGGACGATAGTTAAGAAATATAAAATAATTATAAATTTAAGTCCA

12,960

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTTAATATTTAATTTTTTAGCATATTAAGTAAAAAAATATTTTGACATCTAGTAAATCTAAGGGTTTTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGAGTTTCGCTGTTGTTGCCAGGCTGGAGTCTGGAGTGC  
AAATTATAAATAAAAATCGTATAATTTTCAATTTTTTATAAAACTGTAGATCATTTAGATTCCAAAAAAAACAAAAAAAACCTCTGTCTCAAAAGGACAAACAGGGTCCGACCTCACGACCTCACG

13,095

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATGGCATGATCTCGGCTCAACGCAACCATCACCTCCAGATTTCAAGCGATTCTTCTACCTCAGCCTACCAGTAGCTCGGATACAGGCATGTGCCACCACACCCGGCTAATTTCTATTTTTAGTAGAGATGG  
TTACCGTACTAGAGCCGAGTTGCCTGGTGTGAGTGGAGGCTCTAAGTTCGCTAAGAAGATGGAGTCGGATGGCTCATCGAGCCTAATGTCCGTACACGGTGGTGTGGCCGATTAAAGATAAAAAATCATCTCTACC

13,230

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GGTTTCTCCATGTTGGTCAAGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCCAAAGTGTGCGATTACAGGCATGAGCCACTGCGCCAGCCAAATAAAGATTTTTTAAATCATGATCTGTGAATCCAGT  
CCAAAGAGGTACAACAGTCCGACAGAGCTTGAGGACTGGAGTCCACTAGGTGGTTTTACGACGCTAATGTCGACTCAGGTGACGCGGGTGGTTATTTCTAAAAAATTTAGTACTAGACACTTAGGTC

13,365

CHMP2B

CHMP2B-201

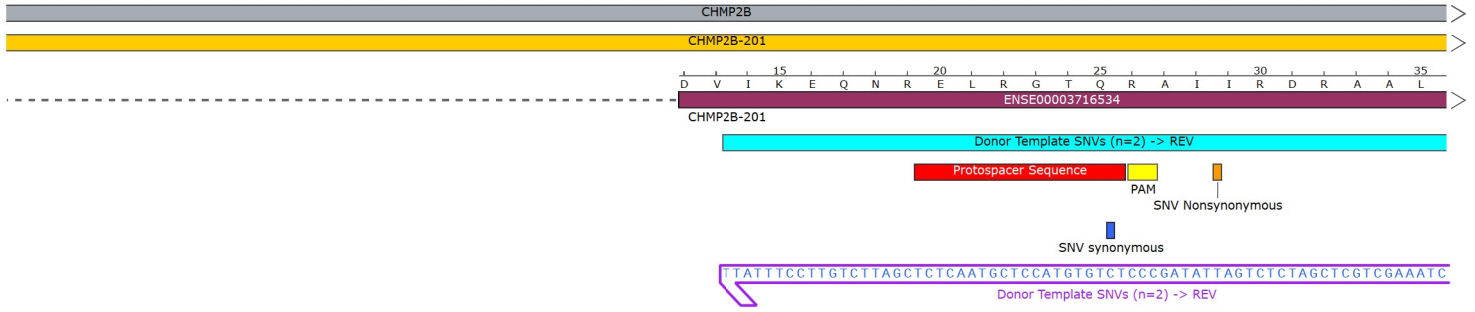
CHMP2B-201

PCR Reverse  
gcgccagccAATATAAGAT

gRNA Protospacer  
AGAGTTACGAGGTACACA

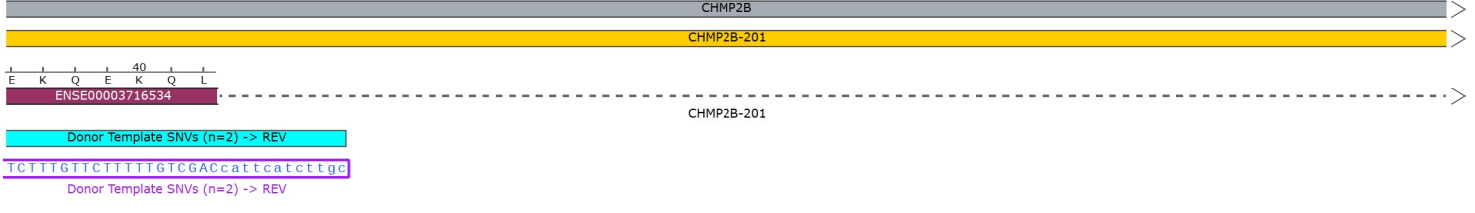
ATTTAAATGATATTGAAAATTTTACAACCCATAAATTTAGGTTTCTTTTGTGATTCTCCTAGATGTAATAAAGGAACAGAATC.GAGAGTTACGAGGTACACAAGGGCTATAATCAGAGATCGAGCAGCTTTAG  
TAAAATTTACTATAACTTTTAAAATGTTGGGTATTAAATCCAAGAAAACACTAAGAGGATCTACATATTTCCCTGTCTTAGCTCTCAATGCTCCATGTGTCTCCCGATATAGTCTCTAGCTCGTGGAAATC

13,500



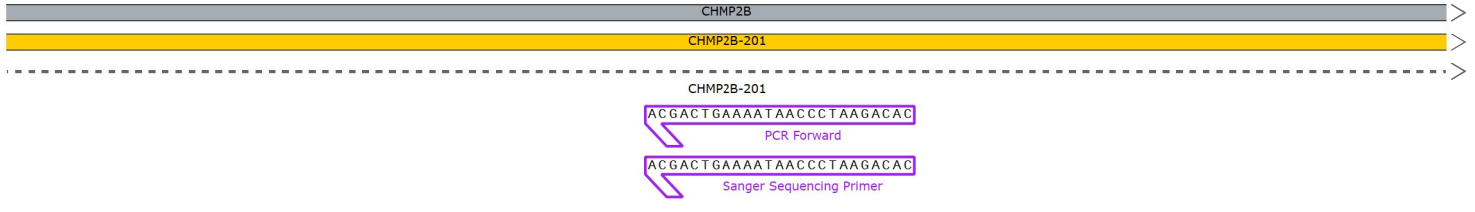
AGAAACAAGAAAACAGCTGGTAAGTAGAACGTTAAATTTCAAGTTTAACTTTTCAACAAATTTGGAAATTAAGTCTAGGAAATAATTAGCTAAC TAGGAAGAAGGCACATGGCAGGTGGTAAGTATTACTTAAT  
TCTTTGTTCTTTTGTGACCAATTCATCTTGAATTTAAAGTCAAATGAAAAGTTGTTTAAACCTTTAATGACATCCTTATTAATCGATTGATCCTTCTCCGTGTACCGTCCACCAATCACTAAATGAATTA

13,635



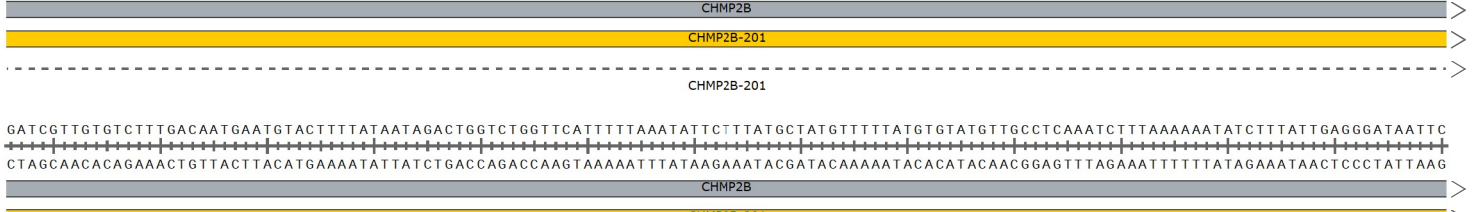
TAAGAAATGGCAGTTAATGATTTTTGTATCTTCTGCTTACCTTTGTTTATGTTGTCATTCTGCTGACTTTTATGGGATTTCTGTGTTATCTGTTGATTATAGAAATCAAATATTCTTCAGTTTGTGAGAGTCA  
ATTCTTTACCGTCAATTAATAAACAATAGAAAGACGAATGAAAACAAATAACACAGTAAGACGACTGAAAATAACCTTAAGACACATAAGACAACATAATCTTAGTTAATAAGAAAGTCAAACTCTCAGTAT

13,770

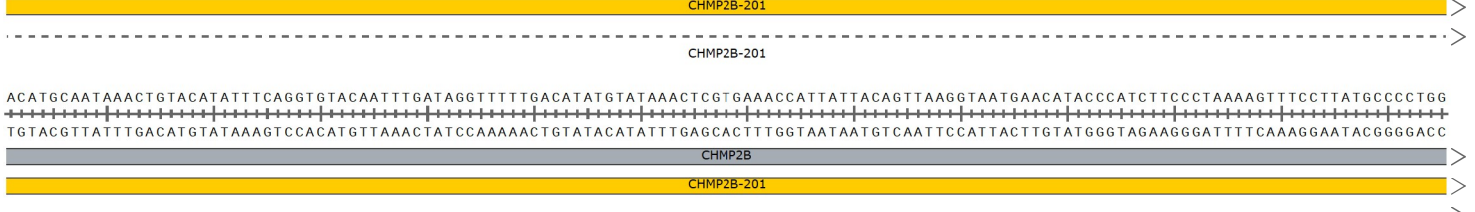


AGIATCAGGAAGAAAGAIIGTCI CAAGACAGAACCACCIICIIAGIIAACAGGAAGAIGAAAIGICAIIGAAAACAAAGGAAGGIIAIIIIAAAAIIACAIIAACICAIAGGAGICIIIGCIIGAIATIIIAAA  
TCATAGATCCTTCTTCAACGAGTTCTGCTTGGTGGAAAGATCAATGTCCTTCTACTTTATCAGTACCTTTGTTTCCCTCCAATAAAATTTTAAATGTAATGAGTATCCTCAGAACGAACATAAAAAAT

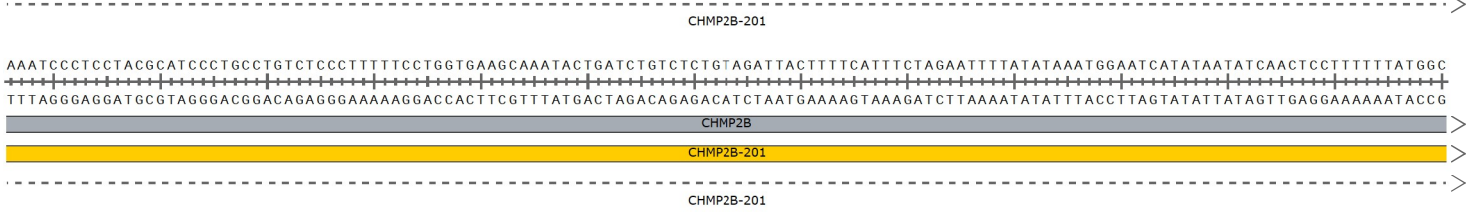
13,905



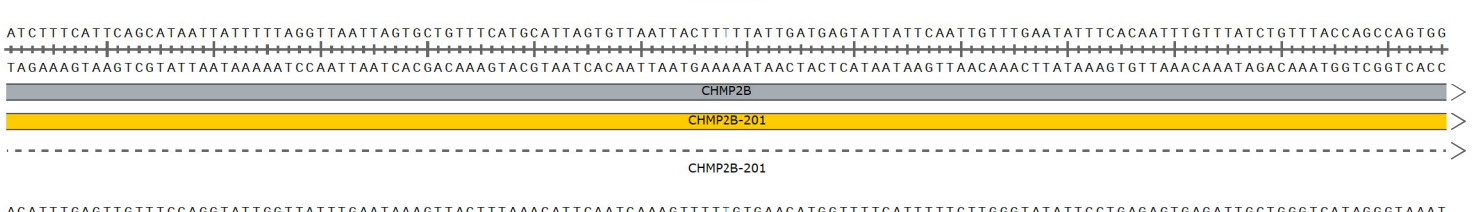
14,040



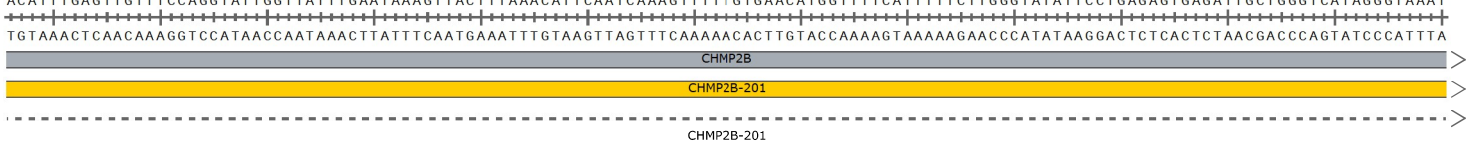
14,175



14,310



14,445



14,580

GTATGTTTAACTGCTAAAAAATAAAATAAAGTGCTGAAAAATTTGCAGAGTGCCGTGATGTTTTCTTCCCATAGCAATGATGAAAGTTACAGTTGTTTCACATACCTTGGAGTTGACAGTCTTTAATTT  
CATACAAATTGACGATTTTTAATTTAATTTACGACTTTTTAAACGTCTCACGGACACTACAAAAGAGAGGGTAACTCGTTACATACTTTCAATGTCAACAAAGTGTATGAACCTCAACTGTCAGAAATTA

14,715

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGCCATTTTAGTGGGTGTATAGTACGTTGTCATTTTAAATTTTCATTTTCATAATCACTAATGATGTTGAACATCTTTTATATACCTGTTTACCATTACTTATCTTTTTGCCAGAGTGTCTATTCAAATATT  
ATCGGTAAAATCACCCACATATCATGCAACAGTAAAATTTAAAGTAAAAGTATTAGTGATTACTTACAACTTGTAGAAAAATATATGGACAATGGTAAATGAATAGAAAAACGGTCTCACAGATAAGTTTATAA

14,850

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTACCCATTTTTTCATCAAATGTTTTCTTACTTAGTTACAATAGATTTTTATATATTGTGAAACAAATGCTTTTAAAGTATATGTTGTACAAATATTATTTCCAAGTCTTAACTTGTCTTCATTTTCTT  
AATGGGTAAAAAGTAGTTTAAACAAAAGAAATGAATCAATGTTATCTAAAAATATATAACACCTTTGTTTACGAAATAATTCATATACAACATGTTTATAATAAAGGTTCAAGAATTGGAACAGGAAGTAAAAAGGA

14,985

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGTGTGTTTTGAGGAATGAAAGGGTTTTTGGGTTATTTTGATCAAGTACAATTTTTATTCTTTTATCTTTTTCAATGTTGGAGTTTCTTACAAACGTC AATAGGTCAAATGGTGATAGTGTTTTTCTA  
TTACACAAAACCTCCTTACTTTCCAAAAAACCAATAAACTAGTTTCATGTTAAAAATAAGAAAATAGAAAAAAGTTACAACTCAAAGAATGTTTGCAGTTAATCCAGTTTAACTCATCACAAAAGAT

15,120

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGTCTTCTGTATCATTGCAGATCTTCTGTCTACTTGTGCAATTAGAGTGATACATAAGAGTGGAGTTGTTAATATTTTCATCCTTTTTCTGTGATTAGTACTTTTAGTGTACTACTTAACTTTTAGTGTAC  
TCAGAAGACATAGTAACGCTTAGAAGACAGATGAACAGTGTAACTCTCACATATGTTTCTCACCTCAACAATTTAAGAGTAGGAAAAAAGACACTAATCATGAAAATCACATGATGAATGAAAATCACATG

15,255

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGCCACGAGTGCCTAACCTCATAGTCAGTAATTTTTCTCCTATGTTTTCTTCTAGAAAATTTACAGTTTTAGTCTTACATTTAAAACGTGAACCATATTGAATTAAGTTTCAGTATGGTGTGAGGTAAAGGT  
ATCGGTGCTCACGGATTGAGTATCAGTCATTATAAAAGAGGATACAAAAGAAGATCTTTATAATGTCAAAATCAAGAATGTAATTTTGACACTTGGTATAACTTAATTCAAAAGTCATACCACAGTCCATTCCCA

15,390

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGAGGTTCACTTTTTGCATATGAAAAGTCAGTTGTTTCAACATAATTATTGCTGACACTTTCCCTTGTGCTTTTGGGAAAATCAGTTGTCCAAACGTAGGCATCTTCTGGGCTCTGTTCCATTGATTTACAT  
TCTCCAAGTAAAAACGTATACCTTTCAGTCAACAAAGTTGATTAATAACGACTGTGAAAGGGAAACAGCAGAAAACACCTTTTAGTCAACAGGTTTGCATCCGTAGAAAAGCCCGAGACAAGGTAACATAATGTA

15,525

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GACTGCTTTTAAAGCTAATACCGCATTATTTTTGTTAATAAAGGTTTAAATAAGTCTAAAAGTTAGACAGCATTAACTCCTTCCACTTTGTACTTCTTTTTTCATAATTGTTTTGGCTATTTTAGGTGCTTTGCATT  
CTGACGAAAATTCGATTATGGCGTAATAAAAACAATTTTCCAAATTTATTCAGATTTTCAATCTGTCGTAATTAGGAAGGTGAAACATGAAGAAAAAAGTATTAAACAAAACCGATAAAAATCCACGAAACGTAA

15,660

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCTATAGGAACTTTAGAATACAAATCAATTTCTACAAAAAAGATCAGATTTTGATTGGGATTACATTGAATAGTTACATATTAACATTGTGTCAAGACATATTAACATAATGTTAGTTAACATTAACAGAAGA  
AGATATCCTTGAATCTTATGTTTAGTTAAAGATGTTTTTCTAGTCTAAAAC TAACCTAATGTAACTTATCAATGTATAATTGTAACACAGTATTCTGTATAATTGTAATTAACATCAATTGTAATTGCTTCT

15,795

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CATATTAACATATATGCTTCTGACCTATGAAGTTATTATGTATCTCTCCATTATTTAGATCTCCATTTATTTAGACTTTCAACTTTTCTCAGCAGTGTTTTGTACTTGTGAAATGGTTGTGGTTTTCTTTTT  
GTATAATTGTAATACAGAAGACTGGATACTTCAATTAATACATAGAGAGGTAAATACTAGAGGTAAATAAATCTAGAAAGTTGAAAGGAGTGTGCACAAAACATGAACAACCTTTACCAACACACAAAAGAAAAA

15,930

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAGTCTGTCAATACAGTGAATTACTTTGATTATCAAAAATGAATCAACCTTTTGTCCAGGGACACACCCACTTGGTAATGATGATTTTTTTAATGATTTTTTCAGTTTGTGAAATTTAAGAAATCTGTC  
ATCAGACAGTTATGTCACCTAATGAAACTAATAGTTTTTAACTTAGTTGGAAAAAAGGTCCTGTGTGGGGTGAACCATTACTACATAAAAAAATTTACATAAAAGTCAAACGACTTTAAAAATTTCTATAGACG

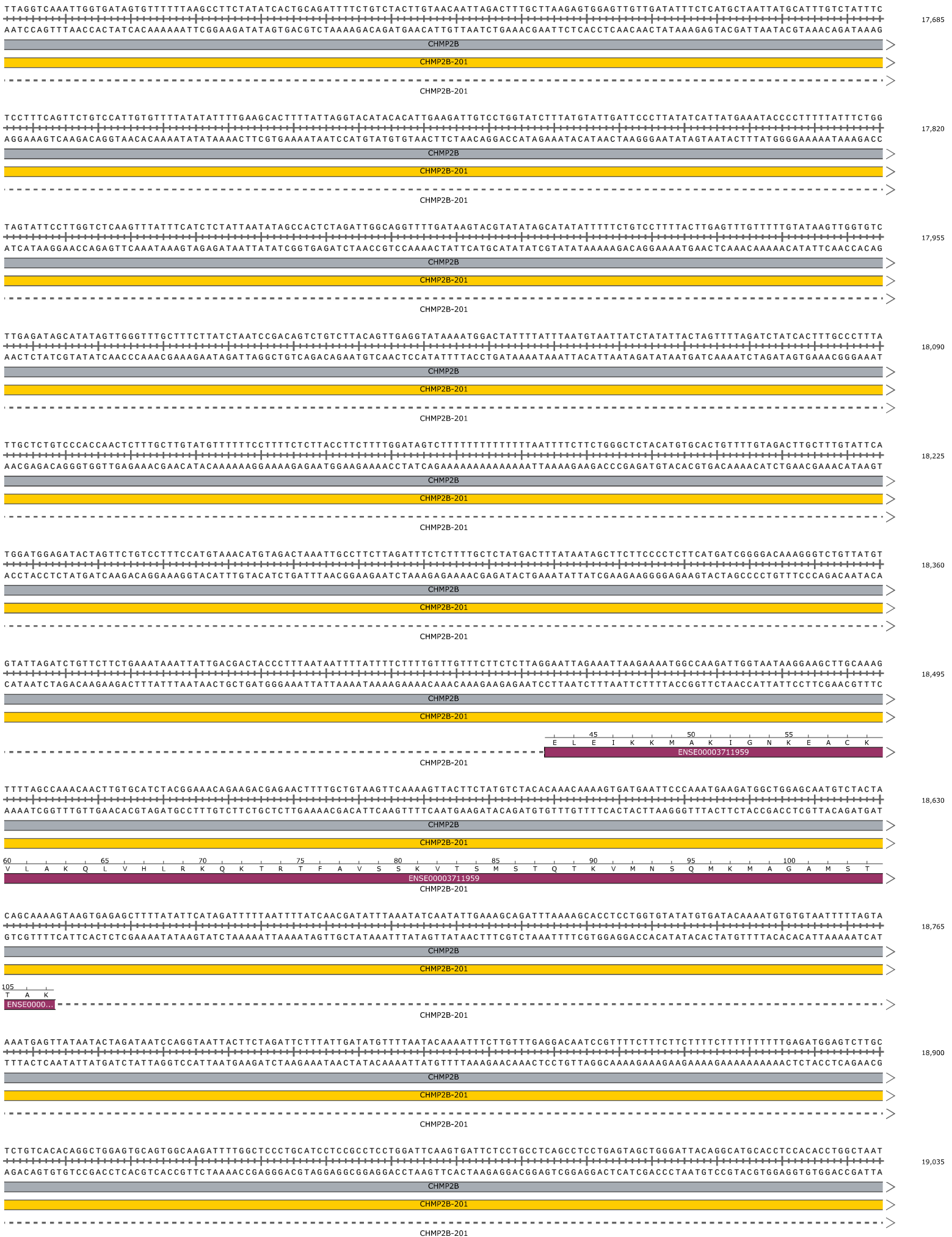
16,065

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201





TTTGTATTTTATAGTAGAGACGAGGTTTACATGCTGGCCAGGCTGGTCTTAAACTCCTGATCTCAGATGATTCCGCTGCCTCAGCCTCCCAAATTGCTGGGATTACAGACATGAGCCACC GCGCCAGCCAACA  
AAAACATAAAAATCATCTCTGCTCCAAAGTGTACGACCGGTCCGACCAGAAATTTGAGGACTAGAGTCTACTAAGCGGACGGAGTCCGAGGGTTTAAACGACCCATAATGTCTGTACTCGGTGGCGCGGTCGGTTGT

19,170

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATCCCTTTTCTAAAGATCACATGTAGCTTCTAATTTTATGAAATGACTTTTAAAGTATTGCTTTTTCCCTCAAATGTCAGAAGATTTTGTGACCTTCTGTCTCATTATATGTTCTGACTACTTTTGAG  
TAGGGAAAAAGATTTCTAGTGTACATCGAAGATTAAATACTTTAACTGAAAATTTTCATAAACGAAAAAAGGGGAGTTTAAACAGTCTTCTAAAACCTGGGAAGACAGAGTAAATATAACAGACTGATGAAAACTC

19,305

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGATAATTTCTCTTGATTCTTTTATGAATGTGTGAGAAGGTCACATGAATAAAGAAAGATTTATCAGAATGTTTGTCTAGAAGCTTATGTTTAACTTACTGTATACACACACAACACATTTTCTATATC  
ACTATTAAGGAGAACTAAGTAAAAATACCTTACACACTCTCCAGTGTACTTATTATCTTTCTAAATAGTCTTACAAACAGATCTTGAATACAAAATGAAATGACATATGTGTGTTTGTGTAAGAAAGATATAG

19,440

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTAATCAGTGTTTTACTGTAGTTTAAAGGACTCTGAGTCTTTCACTCATTTAATAAATAAGGACTCCTTGATAGTGTAGTCATCAAAGAGGTTAAGACAGAAACTGTGCTTTCACAAAATTTTATAGTTCA  
ACATTAGTCACAAAATGACATCAAATTTCTGAGACTCAGAAAGTCAGTAAATTTATTTCTGAGGAACTATGACAATCAGTAGTCTTCTCAATTTCTGTCTTGTACACGAAAGTGTAAAAATATCAAGT

19,575

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTGGAGGCTTAAGATATGTCTCTTGGAACTACCCACTATATATCAGTCATGCTAAGCTTTATGAACTGCACAGACCTTTGAGTAGGGTGATCTAAAAGACATTCGATAAGACAAAGGTTTTAAGAATATCATT  
TAACCTCCGAATTTCTATACAGAGAACCCTGGATGGGTGATATATAGTCAGTACGATTCGAAATACTTTGACGTGTCTGGAACCTCATCCACTAGATTTCTGTAAACGTATCTGTTTCCAAAATTTCTTATAGTAA

19,710

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGATGTTAGCTGTACAGAAGAGGGATTGTGAATATGAAGTCAAAAAGAAAAAATAGCCTCAGAGGAAAGTACAAGCTTTATGTTAGGGAAATGGTATACACAGGCAATTTATGTTATTCATAGTAGTTATGTCT  
TCTACAATCGACATGCTTCTCCCTAACACTTATACTTACGTTTTCTTTTTTATCGGAGTCTCCTTTCATGTTCAAAAATACAATCCCTTTACCATATGTGTCCGTTAAATACAATAAGTATCATCAATACAG

19,845

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCATGAAAGTCGGGAACACTGAAATAGTGCATATTGAACCATTGCTCCCAGGGGAAATACTGAGTTATTTCTGTGAGCCTTTGCCACAACTTTTTTCATTACCTAATCTGTACCTAACTAACCTTGTGTTTC  
GGTACTTCAGCCCTTGTGACTTTATCAGCTATAACTTGGTAACGAGGGTCCCTTTTACTGACTCAATATAAGACACTCGGAACGGGTGTGCAAAAAGTAAATGGATTAGACATGGATTGATTGGAACACAAG

19,980

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTTTAAAGATGCCATTTTAAATATATAGCTGATTTGCTCATATTGAGCTTATGACTAATGGGACTATACCTCATTCTGGAACAAGCTTATCTAACGTGATTTTCTCCATAAAGCACATCATGTCTCTCTTC  
ACAAAATTTCTACGGTATAAATTTATATATCGACTAAACGAGTATAACTCGAATACTGATTACCCTGATATGGAGTAAGACCTTGTTCGAATAGATTGCACATAAAAGAGGTATTTCTGTAGTACAGGAAGAAAG

20,115

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACTTAGGAACACTGGGCAGCATGTTAATACAATGCTTGGGGATCATTTTTTATCAGTGAATCACAACAAAAAGCACAAAAGTGGAGAAAATGTGACACTAAGTAAACTATGGAAAGGACACTTAATTTGCAGT  
TGAATCCTTGTGACCCGTGCTACAATATGTTACGAACCCCTAGTAAAAATAGTCACTTTAGTGTGTTTTCTGTTTTCACTCTTTTACACTGTGATTCATTTGATACCTTTCTGTGAATTAACGTCA

20,250

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAGAAGGCGAACAATCCCCTTGTGTTGACCTCAGCTGGAAATGTGCATGTTGGGTGACTCACATGTTTGTGCTTTGTAATGTACAGATGAGCATTAAAACACTGCAGGTAATTCATTGGAGTTACAATAAAA  
TTCTTCGCTCTGTAGGGGAACAACCTGGAGTCGACCTTTACACGTACAACCCACTGAGTGTACAAAACGACGAAACATTTACAGTGTCTACTCGTAATTTGTGACGTCCATAAAGTAACTCCAATGTTTATTT

20,385

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

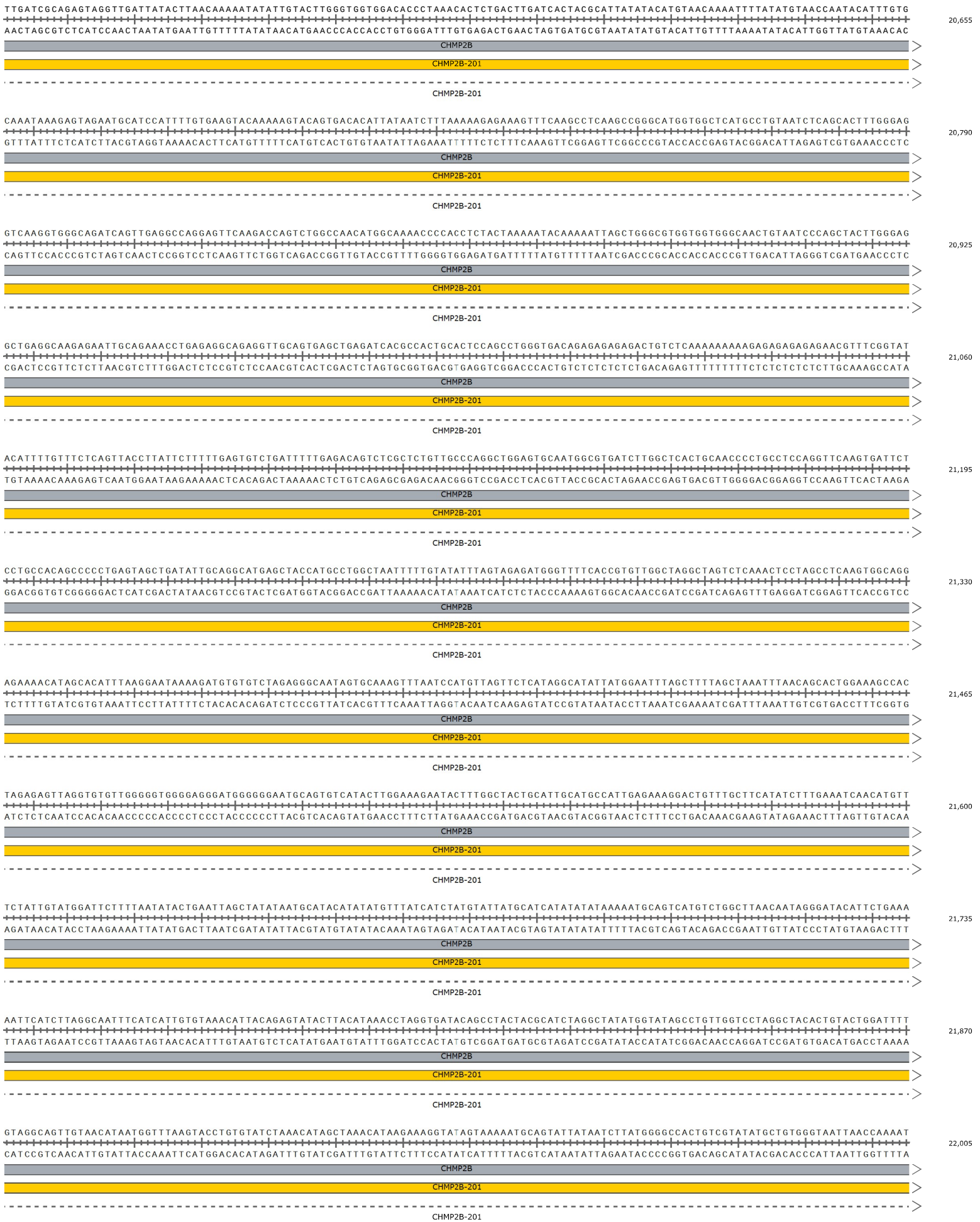
TTTTAATGAGTAGGTAATTTCTCAGATATGGAATCTACAATAAGGAGTATTAAGTGAATTTGACATTTAGACAGCAGAGCACATGAAAGTCGAGTGTGTGCAACATACAGTTAGAAGGAATAAATCAATCT  
AAAATTAATCATCCATTTAAGAGTCTATACCTTAGATGTTTATTCTCATAAATGACATTAACGTAAAAATCTGTGCTCTCGTGTACTTTCACTCACGACAGCTTTGTATGTCAATCTTCTTATTTAAGTTAGA

20,520

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201





GTAAGCACATGAAACATGATTGTAATAAATTTTGGTGGTACTAGAGAACATGAATCTCTTAATGAAATGAGTTGGTGAATATATAATGTAAGAGAAATGTTTTTCACATAGTTTTTCAAAGCTCACATTTTATAT  
CATTTCGTGACTTTGTACTAACATTTATTTAAACCACCATGATCTCTTGTACTTAGAGAATTACTTTACTCAACACTTATATATTACATTTCTCTTAACAAAAGTGTATCAAAAAGTTTCGAGTGTAATAATA

22,140

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTTTTAAACCATGGTTTAAATGTTAATAGATTAAAGTATATGCTAGTATATCTTCTAATCTTTTTTAATTTAGACATTAATAATTTAATGAAAGTTTTTATAAAAAATTAATTTAAAAATTTATTGACAT  
AAAAAATTTGGTACCAAAATTTTACACAATTATCTAATTCATATATACGATCATATAGAAGATTAGAAAAATTAATCTGTAATTTTAAATTAATTTTCAAAAATATTTTTAATTTAAATTTTAAATAACTGTA

22,275

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TACCTACTTGCCACAAAAACAGGTAATTTTATTTTCCATTTTGAATAGCAAAGGATTTTATGCTGATAATGTTTTTATTACATAATTCCTTGCCTGCTGTTTCAGATGAGGTTTTTACACTGGTCTTTATTAT  
ATGGATGAACGGTGTTTTGTCCATTTAAAAATAAAGGATAAATCTATCGTTTCTAAAAATACGACTATTACAAAAATAATGATTAAGGAACGGACGACAAGTCTACTCCAAAAAGTGTGACCAGAAATAATA

22,410

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATAGATGTTAAGCAGATGGTTTCCAAATGACTATTTTCATTTTTTCTAGAAATTTTAAACAGTCTATGTTTGATTACGGCAGGATGGATATCTTTTAAAGCCATCTATATTTGATGTGTTCCCTTTTGACTTAT  
TATCTCAAATTCGTCTACCAAAGTTTACTGATAAAGTAAAAAAGATCTTATAAATTTGTCAGATACAACTAATGCCGCTCTACCTATAGAAAAATTTCCGGATAGATATAAATACACAAGGAAAACTGAATA

22,545

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTCATAGTAAAAATTTTCATAATTATGGAAGTAACATGAATCTTGTAAATACATTTAAAGACAATGCAAGCAGTTAACAGAAGATGGATCCACAAAAGACATTACAAACAATGCAGAAATTTCCAGAAGGAAAAACA  
AAGTATCATTTTAAAAGTATTAATACCTTCATGTAAGTAAAGTAAATTTGTAATTTCTGTTACGTCGCAATTTGTTCTTCTACCTAGGTGTTTTCTGTAATGTTTGTGTTACGCTTAAAGGCTTCTCTTTTGT

22,680

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGAAAAATGGAAATGACTGAAGAAATGAGTAAGTTTAAATAAATATAATGAAATTTATAGTTTTCTCATCTTTGAAATAGCCATTTATTTACTATGTCTCATTTCTCATTACGGAAGGCAGAAATGATGAAACCA  
ACTTTTACCCTTACTGACTTCTTTACTCATTCAAATTTATTTAATATTACTTTAAATATCAAAAGAGTAGAACTTAAATCGGTAATAAATGATACAGAGTATAAGAGTAAGTGCTTCCGCTCTTACTACTTTGGT

22,815

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

M K M E M T E E M  
ENSE00003713804

CHMP2B-201

AAGATGATAGGCTCAAAATTTCTATTTGATTTAACTGAGGGAAGGTATAAACTATGTTATGCCACATCACTGTTACACATTTGGCTTCAGCAGTTTTACTTTACTGATTAGTATACAAAACCACTTTGTGAGGTA  
TTCTACTATCCGAGTTTAAAGATAACATAAATGACTCCCTTCCATATTTGATACAATACGGGTAGTGACAATGTTGTAACCGAAGTCGTCAAAATGAAATGACTAATCATATGGTTTGGTTGAACACTCCAT

22,950

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CATAATTCATGATATAAGTCAAGCAGTTTCAGAGTTATGTCAACTCTTTGATACTGTAGAAGATTTGCCGTATTAGAGGTAGAGGTAATGGAGCTCTTTTTTGTGTTTTATTCTCACTTTTTCCCTCT  
GTATTAAGTACTATATTCAGTTCGTCAAAAGTCTCAATACAGTTGAGAAACTATGACATCTTCAAACCGACATAATCTCCATCTCCATTACCCTCGAGAAAAAACAAACAAAAATAAGAGTAAAAAAGGGAGA

23,085

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CACAAGAGTCTTCTAATATTTAAGTTTTGCTTTTTGAAATATAAACTAATTACATGTTATGGTGGAAACACAGAGAATACAGAGACAGAGCATATAAAAATACCACAGCACTCAGATGTAGTTACCGTAAATGT  
GTGTTCTCAGAAGATTATAAATCAAAAACAGAAAACTTATATTGATTAATGTACAATACCCTTTGTTGCTCTTATGTCTCTGTCTGTATATTTTAAATGGTGTGCTGAGTCTACATCAATGGCAATTACA

23,220

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TGTATGTTTTATTTCTGTTTTTCTCATAATCTTGATCTACAAAAGTGAGATCACCTTACATGTACAATTTAATGATATCTTGCTTTTTAAAAACATAATAGTATAACATAAGCAGATACTCATGACCTTGACAT  
ACATACAAATAAAGACAAAAAAGAGTATTAGAAGTAGATGTTTTCACTCTAGTGGAAATGTACATGTTAACTTATAGAACGAAAAATTTTTGATTTATCATATTGATTTCGCTCATGAGTACTGGAAGTACTGTA

23,355

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TAAATCTTCTCTGAAGTCTTTTTAAAAAATAGCTTTAATATCATTTAACATCAGTATACCCTAGTTTATCAAACCTTCTTATGTTGGTCAATAAGATTGTTGTAATAATTTAACGTTGTTGATAATCCTTTGA  
ATTTAGAAGAGACTTCAGAAAAATTTTTATCGAAATATAGTAAATGTAGTCAATGGGATCAAATAGTTTGGTAAAGATCAACCAGTTATTCTAACACATTTTAAAAATGACAAAACTATTAGGAACT

23,490

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAAAATGTGTAAGTATTATCTTTGACTGAATTTCTTAAATCTCCTCAGAAATTTAACTTTTATAAGGCTGTTGGTTTGACTACCAATCTTTCCGGAAGACTACACCAATTTTATTTACCAATAATGAATG  
TTTTATACACATTCATAATAGAACTGACTTAAAGAATTTAGAGGAGTCTTATAATTGAAATATTCGACACCAACCATGATGGTTAAGAAAGGCCTTCTGATGTGGTTAAAAATAAAGTGGTTATTACTTAC

23,625

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACCGACCTTCATAGCACCTCGTCAACATTAGATTATTGCTTATATTATGTCAAAACTGACATCATTGTTTGAAGATGTTTTCTAAATGTTTTACAACATAAAAAATGAAAAATAGAAAAATTAATGTT  
TGGCTGGGAAGTATCGTGGGAGCAGTTGTAATCTAATAACGAATAAATACAGTTTTGACTGTAGTAAACAACTTTTCATACAAAAGATTTACAAAATGTTGATATTTTTACTTTTTATCTTTAATTTACAA

23,760

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTACAACATGTAGGGATATACAGTTTAGCTTATCTGCTATCATTTTTAGTTAACAGCATTTAATAACATTTAGTGTATAAAAATAGTATCTAATTAAGTTACCAGGGTTAATAAACTCATTGTTCTAGTA  
AATGTTGATACATCCCTATATGGTCAAACGAAACGAATAGACGATAGTAAAAATCAATGTCGTAATATTGTAATCAGTATTTTATCATAGATTAATTCAATGGTCCCAATTATTGAGTAACAAGATCAT

23,895

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTCTATTTACGTATACCTATTTTTATTCTTGGTTGTAATAACTGTATGTTTTATCTTTGGCAGCTCCAAAAGTTCTGTAGTTTTTACTTCAGGCCTTAGTTTGAAAACATAGATTTTTTTCAGGTTGTTGAAG  
AAGATAAAGTCATATGGATAAAAAAAGAACCAACATTATTATGACATACAAAATAGAAACCGTCGAGGTTTTCAAGACATCAAAAATGAAGTCGGAAATCAAACCTTTTGATACTCAAAAAAGTCCAAACCTTC

24,030

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CATCATCAATGATTTTTTAAAGACTGAGAGAATTTGTTATTTATATAATGATCTTAGTACTTAAACATGTTGGTTTCCAATGCCAGTGATGGCAGTTCTCAGCAGAGAAATTAACTTTTCCATTAAAGCTATAATGAAA  
GTAGTAGTTACTAAAAAATTAAGTCTCTTAAACAATAAATATTTACTAGAATCATGAATGTGTACACCAAAGTTACGGTCACTACCGTCAAGAGTCTGCTCTTTAATGAAAAGGTAATTCGATATTACTTT

24,165

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AGAATCAATAACCCCTACTTAATCAGATATCTATAACCTACTGCAGTTGTTCTCATTGTTATTTAAATACATTACAAGTTAGTCTGTAATAAATTAATGCATAGCAAGTTAGTCTGTAGTATAATAGTAGT  
TCTTAGTTATTGGGAATGAATTAGTCTATAGATATTATGGATGACGTCAACAAGAGTAAACATAAAAATATGTAATGTTCAATCAGACATTATATAAATTACGTATCGTTCAATCAGACATCATATTATCATCA

24,300

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TATTGATGGTACTCATTTTTTAATAACGTAGTAAATACACTAACATATTTTCATCCAAAAATAAATCAAGGTGTAATCAGCATATCTTTTTCAACTTGGAAATTTATATTCTGCCATGTTGCTCCAAAGC  
ATAACTACCAATGAGTAAAAAATATTGTCATCATTATGTCATTGTTATAAAAAGTAGGTTTTATTTAAGTCCACATTTAGTCGTATAGAAAAAGTTGAACCTTAAATATAAGACGGTACAACGAGGTTTCG

24,435

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTGTTACAGTTAAGACACAAGATCGTTGGGAAATCTTACTATACCTCTGATGAGCATTATTACACTTTTTCTGAAAGCATTCTTCTTGTAGTCTGATTACACCTTTCTAATCTTTTTCTTCTATCTACTT  
AACAAAGTCAATTCGTGTTCTAGCAACCTTTAGAATATGATATGGAGACTCTCGTAATAATGTGAAAAAGACTTTCGTAAGAAGAAACATCAGACTAATGTGAAAAGATTAGAAAAAGGATAGATGAA

24,570

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CATTCATTTTTTTTTCTGCAACTACTACTTTACTTATACTTATAAACTGCGATGACCTGGACTTTGCATCTCTGTATTACTTTGCTAAGTTACATCTGAGTAACATACCGGAAATTTATTTTTCCAGAG  
GTAAGTAAAAAAGACGTTGATGATGAAATGAATATGAATTTGAGACGTACTGGACCTGAACCTGAGAGGACATAATGAAACGATTCAATGTAGACTCATTGTATGGCGCTTTAATAAAAAAGGTCTC

24,705

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCTTACCTTTGAGCATATTTGACTAAATTCCTTTAGGGGTTTTCTGCTTACTACAAAAATAAAATCCCAAATTTTAAATAAAAAGACAAGAAAGAAATATTTAGCTTATGAAACATCTTCAGTTTATACCCTAGATG  
CGAATGAAACTCGTATAACTGATTTAAGGAAATCCCAAAAGACGAATGATGTTTTATTTAGGGGTTTAAATTTATTTCTGTTCTCTCTCATAAATCGAATACTTTGTAGAAAGTCAAATATGGGATCTAC

24,840

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ACTGACTACCTTATGACATTTCCAGGGAGTCATGGCTCATAGATTATAGGTTTGTACTATAGCACTCTAAACAGGACACCTGGTAGGAGCATTGCATAGACAAGGACTCTCTTGTAGTAAATATTAAG  
TGACTGATGGAATACACTGTAAGGTCCTCAGTACCGAGTATCTAATATCAAACAATGATATCGTCAGGATTTGGTCTGTGGGACCATCTCGTAACGTATCTGTTCTGAGAGAACGATCATTATAATTC

24,975

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCTATTTGCCAGGAGCCCCAGTTACCAACATGATTACAAGGAAATCACACTAGGTTACCTGTTCTTTCTGGGGACATTCGCCAGATACCCAGGAGGAACAATTTTAGCTAGCTGCTTTAATTTTTTTTT  
GGATAAACGGTCTCGGGGTCAATGGTTGTAATAATGTTCTTTAGTGTGATCCAATGGACAGAAAGAAAAGACCCCTGTAAGGGGTCTATGGTCTCTCTTGTAAAAATCCGATCGACGAAATTAACAAAAA

25,110

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TTTTCTCCAGACATTTGCCATTTATGTACCTTAAATAACAACCAACAGAGAAGCTTATTCCTTCTGCTTGTGTCCCTGTTGCCTCACAGTGACTTTGCCAGGCCATTCCATTTATGTATCTCTGTGTGGTT  
AAAAGAGGGTCTGTAACGGTAAATACATGGAATTTATTGTTGGTTGTCTTCTTGAATAAGGAAAGAACGAACACAGGGACACGGAGTGTCACTGAAACGGGTCCGGTAAGGTAATACATAGAGACACACCAA

25,245

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AAACCCCTACGTATCCTTGCAGATTACTTCACATGTAACCTTCTCCAGTTGGATGTGATCTCCTTCTGAAACTTTATAATCATTTATCTTTTCTTACACAATCTGTTTCTTAATTTTTTCTTTTATACT  
TTTGGGATGCATAGGAACGGTCTAATGAAGTGTACATTGAAGGAGGGTCAACCTACACTAGAGGAAGAGACTTTGAAATATTAGTAAATAGAAAAGAGAATGGTGTAGACAAAAGAAATTAACAAAAAGAAATATG

25,380

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

TCAAGTGTCAACTACCCGAGGTCCTTTGTTTTCTCGGTCTATATACCATTGTATTATATTGCATTTCAAGGCACTAGATGCCAAGATTCAAAGATAAAAAAGACATAATCTCAATCCATCAAAAATGCTTCC  
AGTTCACAGTTGATGGCTCCAGAAACAAAAGAGGCAGATATATGGTAAACATAAAATTAACGTAAGTCCGGTATCTACGGTCTTAAGTTCTATTTTTCTGTATTAGAGTTAGGTAGTTTTTAACGAAGG

25,515

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CCACAACCTCAACATGATGCATTCTATACAGAGTGCCTTCAATAAATTTTTGGGGAGGGAAGAGAGGTAGAAAAGTTGTAGCAGTAATAATCCTGTTAAATCGGACATCATTCTTTGGGCAAAATTAATAAAAT  
GGTGTGAGTTGTACTACGTAAGATATGTCTACGAAAGTTATTTATAAAACCCCTCCCTTCTCTCCATCTTTTCCAACATCGTCAATATTAGGACAAATTTAGCCTGTAGTAAGAAACCCGTTTAAATATTTTTA

25,650

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

ATTGAACCTTAGATTTCTCTAGAAATTTCTACCTGTATCTTGAATGTAATTTAAGAGGTATAAAAAATGATTATAGATATAAAAAGAGTAAATCGTTTTCCAGATATTAAACAGGATATTTATCTTGCATATT  
TAACCTTGAATCTAAAGAGATCTTATAAGATGGACATAGAACTTACATTTAAATTTCTCCATTTTTTAACTAAATCTATATTTTTCTCATTTAGCAAAGGTCTATAAATGTCTTATAAATAAGAACGTATAA

25,785

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

CTTCTCTACTAGCTTAATGGATACAATTTGTGAATAATATTTAAAAATCTTAAACATGTAGCTGTGACTATCACATTTTTTGTCTATTAGAAATTAATTTTTTAAAAAGAGTAGACTTGTGCTATAAGAT  
GAAGGAGATGATCGAATACCTATGTTAAACACTTTATTATAAATTTTAGAATTTGTACATCGACACTGATAGTGTAAAAAACAGATAATCTTAATAAAAATTTTTTCTCATCTGAACAACAGATATTCTA

25,920

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

AATTTGTGTGAAATGAACATTTATCCAGATTTAATGGCTCAAATATGTATTTATCAATTTACTTCACTGACATTTTGAAGGATTTTTTTAGTTTGTTCAGTGGTTGCTTCTGTAATATACAAAATAGTTGG  
TTAAACACAACCTTACTTGTAAATAAGGTCTAAATACCGAGTTTATACATAAATAGTTAAATGAAGTGACTGTAAAACCTCTAAAAAAATCAAACAAGTGACTCAAACGGAAGACATTATATGTTTTATCAACC

26,055

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

GCTAGACTGTAATATGTAAGTCTAACCTGAAGTTTGTGTTGAAAGTAACTGCTTTGCTCCTTCTCCCATATCCCTAGTCAATGATACACTTGTGACATCTTTGACGGTCTGATGACGAAGAAGAAAGCCAGG  
CGATCTGACATTTATACATTAGATTGGACTTCAAACAAACTTTCATTGACGAAACGAGGAAGAGGGTATAGGGGATCAGTTACTATGTGAACACTGTAGAACCTGCCAAGACTACTGCTTCTCTTTCGGTCC

26,190

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

I N D T L D D I F D G S D D E E S Q  
ENSE00001209407

ATATTGTGAATCAAGTTCTTGATGAAATGGAATGAAATTTCTGAAAGGTATGAACATCATCTTTCTTAGTTGGAATAGTTTCTGCCTACCAGTTTGTCACTTAATGTTTTGTTTTACTAGGAGGTGC  
TATAACACTTAGTTCAAGAACTACTTTAACCTTAACTTTAAAGACCTTTCCATACTTGTAGTAGAAAAGAAATCAACCTTTATCAAAGACGGATGGTGAACACAGTGAATTAACAAAACAAAATGATCCTCCAGC

26,325

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

D I V N Q V L D E I G I E I S G K  
ENSE00001209407

ATGGTTTTTATTCTGTTTCAAAGTAAATTAACAGACCTCTTTACAGCACATCCTGTATGCTTGTCCAATGTTTCCTAATGACGTTTGTCTTTTTTTCATTGTTTAAATATAGATGGCCAAAGCTCCATCAG  
TACCAAAAATAAAGACAAAGTTTTTCATTTAATTTGTCTGGAGAAATGTGCTGTAGGACATACAGGATCAGGTTTACAAAGGATTACGTGCAACACGAAAAGTAACAAATATATCTACCGGTTTCGAGGTAGTC

26,460

CHMP2B

CHMP2B-201

CHMP2B-201

M A K A P S  
ENSE00001945124

CTGCTCGAAGCTTACCATCTGCCCTCTACTTCAAAGGCTCAACATCTCAGATGAAGAGATTGAACGGCAACTCAAGGCTTTAGGAGTAGATTAGTCAAAGAAGTCATACTATTTTCTTACTTATAAATATGTAGT  
GACGAGCTTCGAATGGTAGACGGAGATGAAGTTTCCGATGTTAGAGTCTACTTCTCTAACTTGCCTTGAAGTTCCGAAATCCTCATCTAATCAGTTTTCTTTCAGTAGATAAAACGAATGAATTAATACATCA

26,595

CHMP2B

CHMP2B-201

A 185 R S L P S A S T S K A T I S D E E I E 205 R Q L K A L G V D 210  
ENSE00001945124  
CHMP2B-201

ATAAACCAAGCACAGTGCAGATTTCTTTACAAAACACATGTAATTTGCAAAAAAAAAAAAAAATGAAGACCATGAGTGAACAGTTGTTTCTAACCCATGGCTATTTAGAATCTTTTGCCAAAAGAAATGACAATGA  
TATTTGGTTCGTGTACGCTCAAAGAAAATGTTTGTGTACATAAAACGTTTTTTTTTTTTTACTTCTGGTACTCACTGTCAACAAAGGATTTGGTACCGATAAATCTTAGAAAACGGTTTCTACTGTACT

26,730

CHMP2B

CHMP2B-201

TGCAAAAATGGGAACAGTTTGGATTTAATTTAGAACTGTTTAGGAGTGTATGTGTAAAAAGTTGACTTCTCTTTTGCATGGCACAGAGAAAATATATTCCTTACTTCATGTCAGTTTATGTTCTAAATCTTTT  
ACGTTTTTACCCTTGTCAAACCTAAAATTAATCTTGACAAATCCTCACTACTACACATTTTTCAACTGAAGAGAAAACGTACCGTCTCTTTAATAAAGGAATGAAGTACAGTCAAATACAAGATTAGAAAA

26,865

CHMP2B

CHMP2B-201

TCACTGAATATAAAAATCTTGTAAATGCCATTAGGCACCAACTTAAAGAGGGTTGAAAAATATTAAGAATATATCGTTAATCTGTATCTGTTGCTTCTTTTGTAAAGTATTATGTGTTATGACCATAGGT  
AGTGACTTATTTTTAGAACAAITACGGTAATCCGGTGAATTTCTCCAACATTTTTATAATTTTCATATAGCAATTAAGACATAGACAACGAACAGAAAACATCTACTAATACAATACTGGTATCCA

27,000

CHMP2B

CHMP2B-201

GGTTACAGCTGCCAAATATTTTTAAATGGTCAAAGAAGAGTGTATTTAAACATCTGTCTTAAACAAAACTGTCAATACTTTTCTTTTTCTTTTTCCATTAGGAGAACATCTAGTTGGTAAATTTCAA  
CCAATGTCGACGGTTAATAAAAATTTACCAGTTTTCTTCTCAGGATAAATTTGTAGACAGAAATTTGTTTTGACAGTATTGAAAAGAAAAAGAAAAAGTAATCCTCTTGTAAGATCAACCATTTAAAGTTT

27,135

CHMP2B

CHMP2B-201

ATGTGCTTGACACCTGCCTTAAATAGCACAGACCTATTGTGCACATCTTTAAATATTTTCAGCTGGCAGAAAAGAATTACATTTAAAACAGAAATCAAGGCCCAATACAAGATTATCCTGGCTCTTTTCTATC  
TACACGAACGTGGACGGAATTTATCGTGTCTGGATAACACGTGTAGAAATTTAATAAAGTCGACCGTCTTTCTTAATGTAATTTTGTACTTTAGTCCGGAGTTATGTTTCTAATAGGACCGAGAAAAGATAG

27,270

CHMP2B

CHMP2B-201

TCTGTGGCCCTAATTGAAATATGTACTCTATTTTAGACACGCCCTCTGTTAAACAGACCAGGTTTTCTGGTCTCAGACCTATGATGACTTGTCCCTTTGATGTCACACTGTGAATTGAATATAATTAGTAAA  
AGACACCCGGATTAACCTTATACATGAGAATAAAATCTGTGCGGAGACAAATTTGTCTGGTCCAAAAGGACCAAGTCTGGATACTACTGACAGGGAACTACAGTGTGACACTTAACCTTATATTAATCATT

27,405

CHMP2B

CHMP2B-201

AATAGACGATGAATAAATAACACTTTATAGTAAGAAAACAATATATTTGGCCATCTAAAAATGAGAATTTAATTTATGAATTTAATTTAACTGTTTAAATTTGTTAATGTGTATATTGAATCTTCCAAA  
TTATCTGCTACTTATTTATGTAATATCACTTTTGTATATAAAACCGGTAGATTTTACTCTTAATATTAATACTTAATATAAATTTGACAAATTAACAAATTAACACATAAATAGAGGTTT

27,540

CHMP2B

CHMP2B-201

TTGAAGCCATTATTCTCAATTAAGTACTACAACATGACAATGCTTACCTACATTTCTAAAATAAAAATTCACATTTTTGATAAATAAACTACAGTTTTACCAGAAATTACTACTAAATGTGATTAGCAGT  
AACTTCGGTAATAAGAGTTAATTCATGATGTTGATACTGTTACGAACTGGATGTAAAGATTTATTTTTAAGTGAAAAAATCTTTATTTGATGCAAAATGGTCTTTAATGATAGATTTACACATAATCGTCA

27,675

CHMP2B

CHMP2B-201

ATTTTTAAGGTGAAATGCCTTGGTATCTAATGAATGTGTAGACAGGGAGATAAAAATGAAGGATTGCCAGACTAGTTAGAATAGAATTTAGGATTAGGTTAGTTTTGAAAAATGATGTTGTAATATATGGGTTT  
TAAAAATCCACTTTAACGGAAACCATAGATTACTTACACATCTGTCCCTCTATTTTACTTCTCAACGGTCTGATCAATCTTATCTTAACTCTAATCCAATCAAACCTTTTACTACAACATTTATATCCCAAG

27,810

CHMP2B

CHMP2B-201

TAACACATCTACCATAAAAACCTGGAGGAGATATGTGTAACCTGGTTAATTTGGGATGGTGGACATTTTGGGCTAATACTGACAAAATACATCTTAGGACTAGTATACATGTGACACGGATTGCTAGGAGGAATG  
ATTGTGATAGGATGGTATTTTACCTCTCTATACACATTTGACCAATTAACCCCTACCACCTGTAACCCGATTATGACTGTTTTATGTAGAACTCTGATCATATGTACACTGTGCTTACGATCCTCTTAC

27,945

CHMP2B

CHMP2B-201

AAAACTAAACTGTATAGTTTATATCCGTAACCACTTTTATAATGTCAAAGATTAGGTTTTGTTATTGATAGTATTAATAACACAGTTTCTCTTAAACAGTGATGGGTGAAAACATTTTACCAGATTATGGAAT  
TTTTTGATTTGACATATCAAATATAAGGCATTTGGTAAAATATTACAAGTTTCTAATCCAAAACAATAACTATCATAATTTATGTGTCAAAGAGAATTTGCACTACCCACTTTTGTAAAATGGCCTAATACCTTA

28,080

CHMP2B

CHMP2B-201

GTTTACCAGAACATGTTTTGATTCTTGAATGTACATAAATAAGCCATCTAATTTACGTTCTGTTTACATGTGGGAGCTTTTGTTCAAAAATATTTTTGTTAAAAAATCTCAATAAAGATTTATTTATG  
CAAAATGGTCTGTACAAAACTAAGAACTTACATGTATTATTACGGTAGATTGAATAAATGCAAGAACAATGTACACCTCGAAAACAAAAGTTTTAATAAAAACAATTTTTAGAGTTATTCTAATAATAAC

28,215

CHMP2B

CHMP2B-201

TTGTCTTTTCTTACCTTTTTGCTCTTTTTGGTTCCTGCTAAAATTAATAATTTTATGCATATTTGGTAA  
AACAAGAAAAGAAATGAAAAAACGAGAAAAACCAAGGACGATTTAATTTTTAAAATACGTATAAACCAAT

3'  
28,286  
5'

CHMP2B

CHMP2B-201

Feature	Location	Size	Start	End	Strand	Type
<b>CHMP2B</b>	1 .. 28,286	28,286 bp			→	gene
/note	= gene <a href="#">ENSG00000083937</a> Protein coding					
<b>CHMP2B-203</b>	1 .. 28,278	28,278 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000471660</a>					
<b>CHMP2B-208</b>	15 .. 28,145	28,131 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000677929</a> Retained intron					
<b>CHMP2B-205</b>	32 .. 26,954	26,923 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000494980</a>					
<b>CHMP2B-201</b>	39 .. 28,286	28,248 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000263780</a>					
<b>CHMP2B-204</b>	39 .. 28,216	28,178 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000472024</a>					
<b>CHMP2B-206</b>	42 .. 28,216	28,175 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000676705</a>					
<b>CHMP2B-210</b>	57 .. 28,145	28,089 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000678859</a> Retained intron					
<b>CHMP2B-207</b>	100 .. 19,461	19,362 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000676947</a> Retained intron					
<b>CHMP2B-201</b>	253 .. 26,552	26,300 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 642 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000263780</a>					
/translation	= MASLFKKTVD,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 213 amino acids = 23.9 kDa					
<b>CHMP2B-205</b>	253 .. 26,552	26,300 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 552 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000418920</a>					
/translation	= MASLFKKTVD,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTF,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 183 amino acids = 20.8 kDa					
<b>CHMP2B-203</b>	284 .. 26,552	26,269 bp			→	CDS
▶ 5 segments = 519 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000419998</a>					
/translation	= M,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 172 amino acids = 19.1 kDa					
<b>CHMP2B-209</b>	12,122 .. 19,765	7644 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000678818</a>					
<b>CHMP2B-204</b>	13,102 .. 26,552	13,451 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 690 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000480032</a>					
/translation	= MISAQNRHHLPSDDSSSTSA YRVARIT,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 229 amino acids = 25.6 kDa					
<b>CHMP2B-206</b>	13,102 .. 26,552	13,451 bp			→	CDS
▶ 6 segments = 690 bp						
/note	= coding sequence <a href="#">ENSP00000504098</a>					
/translation	= MISAQNRHHLPSDDSSSTSA YRVARIT,,DVIKEQNRELRGTRAIIRDRAALEKQEKQL,,ELEIKKMAKIGNKEACKVLAQKLVHLRQKTRTFVSSKVTSMSTQTKVMNSQMKMAGAMSTTAK,,TMQAVNKKMDPQKTLQTMQNFQKENMKMEMTEEM,,INDTLDDIFDGSDDDEESQDIVNQVLDEIGIEISGK,,MAKAPSAARSLPSASTSKATISDEEIERQLKALGVD* 229 amino acids = 25.6 kDa					
<b>Donor Template SNVs (n=2) -&gt; REV</b>	13,433 .. 13,532	100 bp			↔	misc_feature
<b>Protospacer Sequence</b>	13,451 .. 13,470	20 bp			↔	misc_feature
<b>SNV synonymous</b>	13,469 .. 13,469	1 bp			↔	misc_feature
/note	= WT=G SNV Silient = A					
<b>PAM</b>	13,471 .. 13,473	3 bp			↔	misc_feature
<b>SNV Nonsynonymous</b>	13,479 .. 13,479	1 bp			↔	misc_feature
/note	= WT=A SNV=G (amino acid change)					
<b>CHMP2B-202</b>	25,779 .. 26,643	865 bp			→	prim_transcript
/note	= primary transcript <a href="#">ENST00000466696</a> Retained intron					

Primer		Length		Binding Sites		Tm	Date Added
✓ <b>PCR Reverse</b>		20-mer		13,317 .. 13,336		59°C	Jun 15, 2022
/sequence	= gcgcccagccAAATAAGAT 50% GC / 6095.0 Da						
✓ <b>Donor Template SNVs (n=2) -&gt; REV</b>		100-mer		13,433 .. 13,532		72°C	Jun 15, 2022
/sequence	= cgttctacttacCAGCTGTTTTCTTGTTTCTCTAAAGCTGCTCGATCTCTGATTATAGCCCTCTGTGTACCTCGTAACTCTCGATTCTGTTCCTTTATT 41% GC / 30,437.8 Da						
✓ <b>gRNA Protospacer</b>		20-mer		13,451 .. 13,468		51°C	Jun 15, 2022
/sequence	= AGAGTTACGAGGTACACAAA 40% GC / 6183.1 Da						
✓ <b>PCR Forward</b>		25-mer		13,696 .. 13,720		56°C	Jun 15, 2022
/sequence	= CACAGAATCCCAATAAAAAGTCAGCA 40% GC / 7621.1 Da						
✓ <b>Sanger Sequencing Primer</b>		25-mer		13,696 .. 13,720		56°C	Jun 15, 2022
/sequence	= CACAGAATCCCAATAAAAAGTCAGCA 40% GC / 7621.1 Da						